



TJURKATALOG

APRIL 2025



Perfect

Emma Krause

4th Dam: Sandy-Valley Morgan Era-ET



SAMSUN

29H021849 BLUMENFELD SAMSUN-ET
TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003272185768 Sibrnr: 94096 kodnr: 9-9210
SHEEPSTER X GAMEDAY X PURSUIT

99% RHA DMS: 123-126 aAa: 432 B-Casein: ATA2 K-Casein: AB

INDEXES



PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

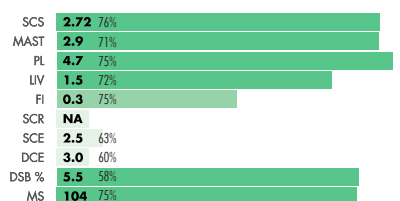


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

3rd Dam: Pine-Tree Era Achie 7593-ET



Kathy DeBruin

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.04	Reslig
Styrka	Vek	-0.01	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.04	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.66	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.79	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.28	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.28	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.70	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.60	Hög
Ben bedömning	Låg	0.75	Hög
Fram juver	Svagt	0.93	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.59	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.94	Brett
Juveligament	Svagt	0.35	Starkt
Juver djup	Djup	0.65	Grund
Spenplac fram	Vid	0.66	Tät
Spenplac bak	Vid	0.65	Tät
Spenlängd	Kort	0.39	Lång

MG60: AOT Jared Haskell-ET

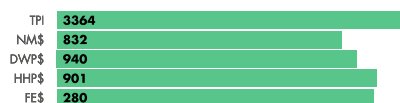


KNACK

250H017022 AOT BEYOND FIGARO KNACK-ET
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003253835727 Sibrnr: 94184 kodnr: 9-9225
FIGARO X DELUXE X BIGGELO

99% RHA DMS: 246-234 aAa: 243 B-Casein: ATA2 K-Casein: AB

INDEXES



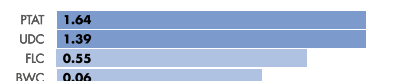
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

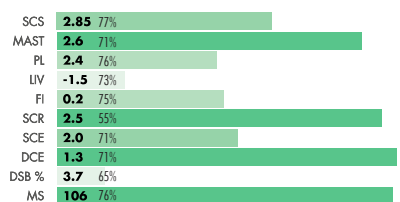


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25



Dam: AOT Deluxe Hi-Lighted-ET

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.67	Reslig
Styrka	Vek	0.53	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.85	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.53	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.05	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.02	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.45	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.72	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.35	Hög
Ben bedömning	Låg	0.71	Hög
Fram juver	Svagt	1.42	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.94	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.19	Brett
Juveligament	Svagt	0.63	Starkt
Juver djup	Djup	0.72	Grund
Spenplac fram	Vid	0.63	Tät
Spenplac bak	Vid	0.75	Tät
Spenlängd	Kort	-0.22	Lång

ASSIST

7H017378 TTM SHEEPSTER ASSIST-ET

TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003250310076 Stbnr: 94183 kodnr: 9-9224

SHEEPSTER X PERFECT X LEGACY

99% RHA DMS: 135-123 aAa: 312 B-Casein: A1A1 K-Casein: AB

INDEXES



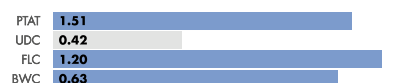
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

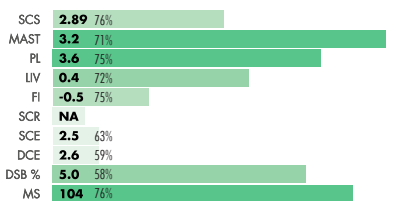


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval. 4-25, CDN Genomic Eval. 4-25, Zoetis 4-25

TTM Sheepster Assist-ET



© Lea Jordan
Light House Photography

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.94	Reslig
Styrka	Vek	0.84	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.80	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.06	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.43	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.24	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.50	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.74	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.04	Hög
Ben bedömning	Låg	1.21	Hög
Fram juver	Svagt	0.53	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.86	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.44	Brett
Juveligament	Svagt	0.72	Starkt
Juver djup	Djup	0.02	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.37	Tät
Spenplac bak	Vid	0.06	Tät
Spenlängd	Kort	1.00	Lång

TUBMAN

250H017513 AURORA TUBMAN-ET

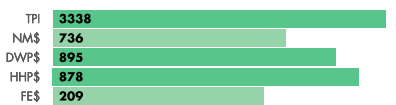
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003259995104 Stbnr: 94185 kodnr: 9-9226

SHEEPSTER X PERFECT X RAPID

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AB

INDEXES



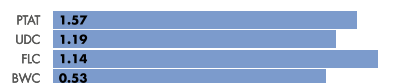
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

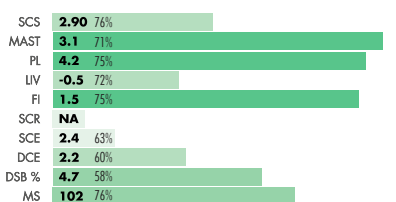


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval. 4-25, CDN Genomic Eval. 4-25, Zoetis 4-25

Sire: Ocd Trooper Sheepster-ET



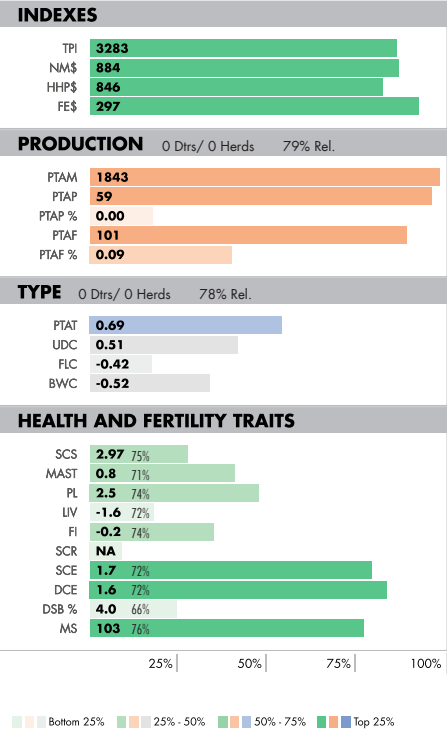
© Jonny Thomas
Light House Photography

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.43	Reslig
Styrka	Vek	0.68	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.44	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.78	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.62	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.60	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.71	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.74	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.56	Hög
Ben bedömning	Låg	1.09	Hög
Fram juver	Svagt	1.45	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.57	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.74	Brett
Juveligament	Svagt	0.38	Starkt
Juver djup	Djup	0.68	Grund
Spenplac fram	Vid	0.31	Tät
Spenplac bak	Vid	0.31	Tät
Spenlängd	Kort	0.19	Lång

JACKPOT

29H021599 T-SPRUCE DNVO JACKPOT-ET
TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003258179063 Sİbnr: 94180 kodnr: 9-9215
MONTANA X TAOS X LIONEL
99% RHA DMS: aAa: 243 B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



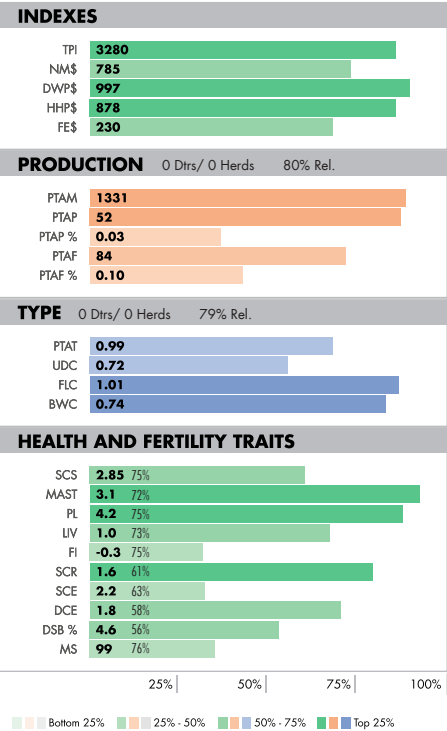
GUSA-HA Evaluation 4/25		0 Dtrs/0 Herds	
Storlek	Låg		1.18 Reslig
Styrka	Vek		-0.29 Starkt
Kroppsdjup	Grund		-0.12 Djup
Mjölktyp	Täta revben		1.31 Öppna revben
Kors bredd	Smalt		0.24 Brett
Korsluttning	Höga bärben		0.29 Sluttande
Ben sidan	Rak		0.51 Vinklad
Ben bakifrån	Tät		-0.54 Parallell
Kotvinkel	Låg		0.18 Hög
Ben bedömning	Låg		-0.04 Hög
Fram juver	Svagt		0.65 Starkt
Bakjuver höjd	Låg		0.95 Hög
Bakjuver bredd	Smalt		1.06 Brett
Juveligament	Svagt		0.33 Starkt
Juver djup	Djup		0.53 Grund
Spenplac fram	Vid		0.50 Tät
Spenplac bak	Vid		0.69 Tät
Spenlängd	Kort		0.62 Lång



MGGD: Fullthrottle Medley Music-ET

MARLON

7H017273 AR-JOY CU VG MARLON-ET
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003205425997 Sİbnr: 94094 kodnr: 9-9173
VAN GOGH X PARFECT X EISAKU
99% RHA DMS: 561-135 aAa: 462 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



GUSA-HA Evaluation 4/25		0 Dtrs/0 Herds	
Storlek	Låg		0.46 Reslig
Styrka	Vek		0.77 Starkt
Kroppsdjup	Grund		0.32 Djup
Mjölktyp	Täta revben		0.25 Öppna revben
Kors bredd	Smalt		1.02 Brett
Korsluttning	Höga bärben		-1.12 Sluttande
Ben sidan	Rak		0.14 Vinklad
Ben bakifrån	Tät		1.68 Parallell
Kotvinkel	Låg		0.92 Hög
Ben bedömning	Låg		0.85 Hög
Fram juver	Svagt		1.06 Starkt
Bakjuver höjd	Låg		1.15 Hög
Bakjuver bredd	Smalt		1.38 Brett
Juveligament	Svagt		-0.33 Starkt
Juver djup	Djup		0.56 Grund
Spenplac fram	Vid		-0.34 Tät
Spenplac bak	Vid		-0.64 Tät
Spenlängd	Kort		0.42 Lång

BOATSHOW

250H016420 BOMAZ BOATSHOW-ET

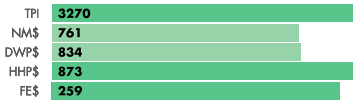
TR TP TC TY TV TL TD MW HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003242205968 Sifnr: 93800 kodnr: 9-8791

GAMEDAY X JURASSIC X YODA

99% RHA DMS: 561-135 aAa: 342 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB

INDEXES



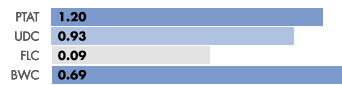
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

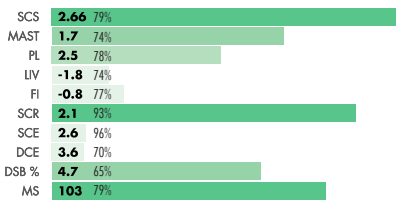


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.84	Reslig
Styrka	Vek	0.74	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.60	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.52	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.92	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.75	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.35	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.02	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.58	Hög
Ben bedömning	Låg	0.32	Hög
Fram juver	Svagt	1.44	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.17	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.47	Brett
Juveligament	Svagt	-0.02	Starkt
Juver djup	Djup	0.98	Grund
Spenplac fram	Vid	0.15	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.02	Tät
Spenlängd	Kort	-0.13	Lång



Sire: Wilra
Gameday Kahn-ET

FRONTENAC

7H017256 AURORA FRONTENAC-ET

TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003259995043 Sifnr: 94093 kodnr: 9-9172

KAHN X PERFECT X RAPID

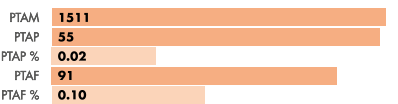
99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AA

INDEXES



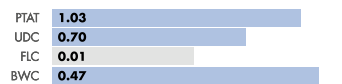
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

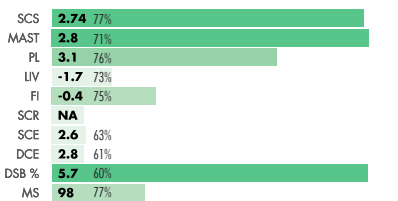


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Sire: Wilra Gameday Kahn-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.07	Reslig
Styrka	Vek	0.65	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.31	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.60	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.62	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.14	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.84	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.33	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.18	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.06	Hög
Fram juver	Svagt	0.45	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.17	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.80	Brett
Juveligament	Svagt	0.03	Starkt
Juver djup	Djup	-0.52	Grund
Spenplac fram	Vid	0.09	Tät
Spenplac bak	Vid	0.45	Tät
Spenlängd	Kort	0.27	Lång



ODAYLE

7H017375 LADYS-MANOR EAST ODAYLE-ET

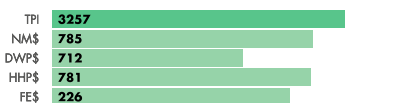
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003272026202 Sibnr: 94095 kodnr: 9-9174

EASTON X GAMEDAY X GRANITE

99% RHA DMS: 561-135 aAa: 243 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB

INDEXES



PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

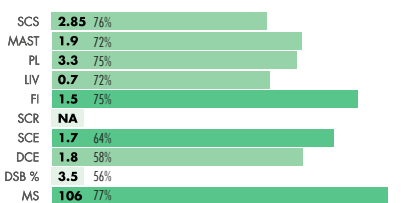


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

4th Dam: Lady's-Manor Dorcy Oda



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.14	Reslig
Styrka	Vek	-0.20	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.03	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.15	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.99	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.38	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.53	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.06	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.14	Hög
Ben bedömning	Låg	0.48	Hög
Fram juver	Svagt	0.95	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.32	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.72	Brett
Juveligament	Svagt	0.72	Starkt
Juver djup	Djup	0.31	Grund
Spenplac fram	Vid	0.86	Tät
Spenplac bak	Vid	0.90	Tät
Spenlängd	Kort	-0.13	Lång



KAREEM

7H017107 T-SPRUCE ESQUIRE KAREEM-ET

TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003260815016 Sibnr: 93925 kodnr: 9-9094

ESQUIRE X PERFECT X LIONEL

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AA

INDEXES



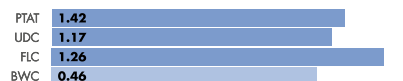
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

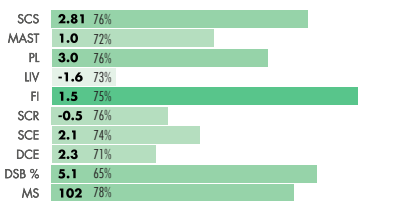


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Sire: Sandy-Valley Esquire-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.42	Reslig
Styrka	Vek	0.58	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.08	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.38	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.72	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.98	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.06	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.83	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.87	Hög
Ben bedömning	Låg	1.12	Hög
Fram juver	Svagt	1.29	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.84	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.97	Brett
Juveligament	Svagt	-0.23	Starkt
Juver djup	Djup	0.73	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.12	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.01	Tät
Spenlängd	Kort	0.65	Lång

CALEB-P

29H021248 DENOVO 2476 CALEB-P-ET

TR PC TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003234522476 S1bnr: 94179 kodnr: 9-9214

MAXWELL-P X ACURA X CRIMSON

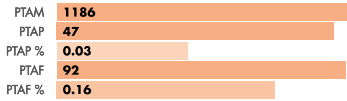
99% RHA DMS: aAa: 324 B-Casein: A1A2 K-Casein: AE

INDEXES



PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

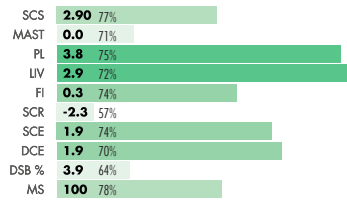


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 78% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



MGD: Winstar Crimson 5742-ET

Small Damours

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.27	Reslig
Styrka	Vek	-0.32	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.40	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.52	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	-0.38	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.17	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.29	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.59	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.15	Hög
Ben bedömning	Låg	0.35	Hög
Fram juver	Svagt	0.11	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.32	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.33	Brett
Juveligament	Svagt	-0.65	Starkt
Juver djup	Djup	0.13	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.60	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.64	Tät
Spenlängd	Kort	0.10	Lång



5th Dam: Peak Charm

GRENADE

29H021135 DENOVO 2404 GRENADE-ET

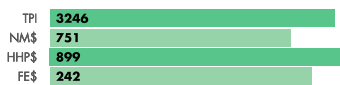
TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003234522404 S1bnr: 94031 kodnr: 9-9119

GOLDEN X TAOS X HUEY

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: BB

INDEXES



PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

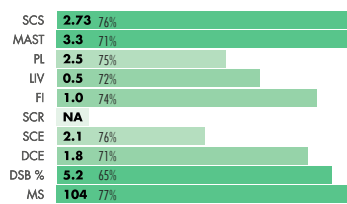


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 78% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



5th Dam: Peak Charm

Red Henge

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.81	Reslig
Styrka	Vek	0.48	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.21	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.22	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.30	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.28	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.17	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.56	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.74	Hög
Ben bedömning	Låg	0.68	Hög
Fram juver	Svagt	0.18	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.45	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.38	Brett
Juveligament	Svagt	-0.03	Starkt
Juver djup	Djup	0.63	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.72	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.63	Tät
Spenlängd	Kort	0.80	Lång

MGD: S-S4 Doc Have Not 8784-ET



HINGE

7H017700 HAVEITALL BLAKELY HINGE-ET

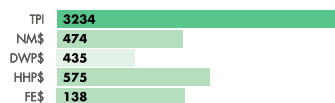
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003277629429 Stbnr: 94099 kodnr: 9-9219

BLAKELY X PERFECT X DOC

99% RHA DMS: 123-135 aAa: 234 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB

INDEXES



PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

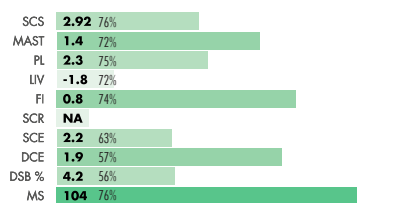


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



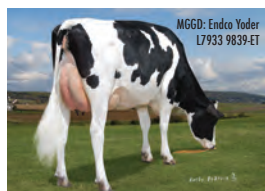
CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Dam: Duckett Perfect Holly-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	2.09	Reslig
Styrka	Vek	1.13	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.39	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.99	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	2.45	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.84	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.06	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.97	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.60	Hög
Ben bedömning	Låg	1.71	Hög
Fram juver	Svagt	2.49	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	3.17	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	3.42	Brett
Juveligament	Svagt	1.60	Starkt
Juver djup	Djup	2.03	Grund
Spenplac fram	Vid	1.00	Tät
Spenplac bak	Vid	1.38	Tät
Spenlängd	Kort	0.18	Lång



MGD: Endco Yoder
L7933 9839-ET

ZEST

29H021537 T-SPRUCE DEVENO ZEST-ET

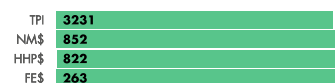
TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003258178807 Stbnr: 94091 kodnr: 9-9163

LEEDS X GAMEDAY X RENEGADE

99% RHA DMS: aAa: 243 B-Casein: A2A2 K-Casein: BB

INDEXES



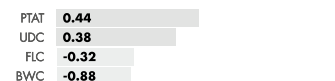
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.

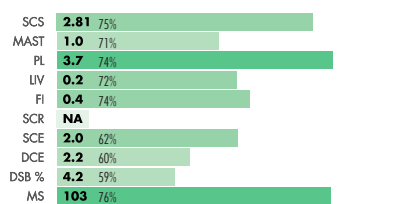


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 78% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

MGD: Endco Yoder L7933 9839-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.43	Reslig
Styrka	Vek	-0.44	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.10	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.30	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	-0.26	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.63	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.53	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.46	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.35	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.06	Hög
Fram juver	Svagt	0.24	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.87	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.95	Brett
Juveligament	Svagt	-0.40	Starkt
Juver djup	Djup	0.39	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.39	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.56	Tät
Spenlängd	Kort	0.20	Lång

MGD: Sandy-Valley Morgan Ere-ET

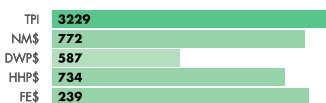


GENIUS

29H020836 PINE-TREE 8418 GAMED 141-ET
TR TP TC TY TV TL TD MW HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003231545259 Stbnr: 93606 kodnr: 9-8687
GAMEDAY X PURSUIT X ACHIEVER

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: AA

INDEXES



PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 83% Rel.

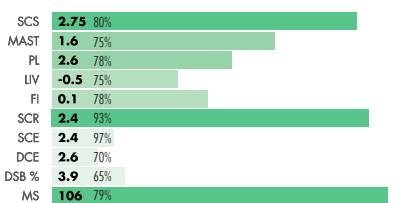


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

MGD: Pine-Tree Era Achie 7593-ET



Kathy DeBruin

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.77	Reslig
Styrka	Vek	-0.08	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.32	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.89	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.58	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-1.13	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.42	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.12	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.04	Hög
Ben bedömning	Låg	0.53	Hög
Fram juver	Svagt	1.10	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.66	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.21	Brett
Juveligament	Svagt	0.56	Starkt
Juver djup	Djup	0.97	Grund
Spenplac fram	Vid	0.84	Tät
Spenplac bak	Vid	0.79	Tät
Spenlängd	Kort	0.47	Lång

MGD: Endco Yoder L7933 9839-ET

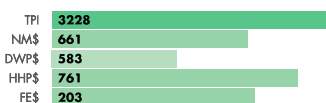


ESKIL

250H017108 T-SPRUCE ESQUIRE ESKIL-ET
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003260815034 Stbnr: 94097 kodnr: 9-9175
ESQUIRE X CONWAY X LIONEL

99% RHA DMS: 234-123 aAa: 354 B-Casein: A2A2 K-Casein: AA

INDEXES



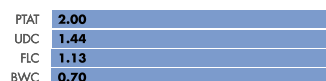
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

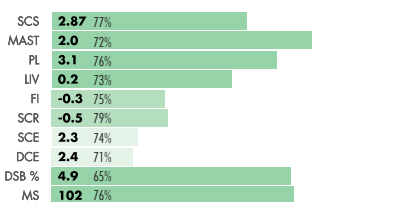


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

MGD: Endco Yoder L7933 9839-ET



Kathy DeBruin

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.59	Reslig
Styrka	Vek	1.02	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.09	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.38	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.95	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.15	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.15	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.36	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.81	Hög
Ben bedömning	Låg	1.47	Hög
Fram juver	Svagt	1.88	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.84	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.85	Brett
Juveligament	Svagt	1.00	Starkt
Juver djup	Djup	1.70	Grund
Spenplac fram	Vid	0.67	Tät
Spenplac bak	Vid	0.78	Tät
Spenlängd	Kort	0.02	Lång

PEOSTA-P

29H021452 DENOVO 2091 PEOSTA-P-ET

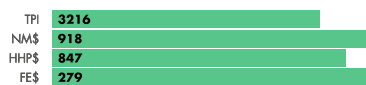
TR PC TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003234522091 Sibunr: 94181 kodnr: 9-9216

PRISTINE-P X LAKER X FRAZZLED

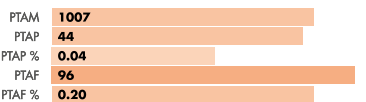
99% RHA DMS: aAa: 462 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB

INDEXES



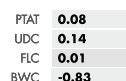
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

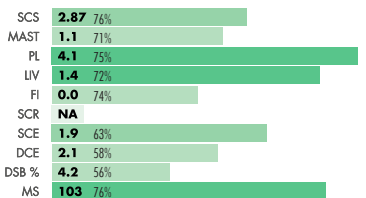


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 78% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

MGD: De-Su Frazzled 6984



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.46	Reslig
Styrka	Vek	-0.40	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.40	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.72	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	-0.37	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.16	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.38	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.46	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.58	Hög
Ben bedömning	Låg	0.06	Hög
Fram juver	Svagt	-0.16	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.61	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.59	Brett
Juveligament	Svagt	-0.58	Starkt
Juver djup	Djup	-0.21	Grund
Spenplac fram	Vid	-1.11	Tät
Spenplac bak	Vid	-1.04	Tät
Spenlängd	Kort	0.26	Lång

SWAGGER

29H021331 DENOVO 2485 SWAGGER-ET

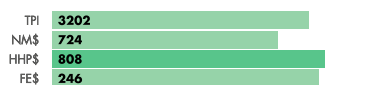
TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003234522485 Sibunr: 94092 kodnr: 9-9171

VENOM X TAOS X HUEY

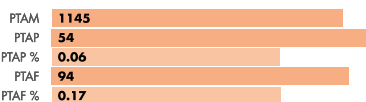
99% RHA DMS: aAa: 4236 B-Casein: A1A2 K-Casein: BB

INDEXES



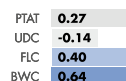
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

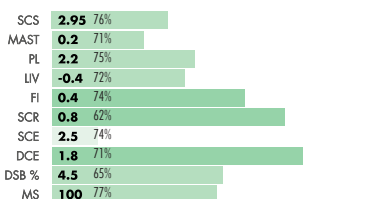


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 78% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Denovo 2485 Swagger-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.57	Reslig
Styrka	Vek	0.76	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.82	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.92	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.55	Brett
Korsluttning	Höga bärben	1.22	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.21	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.75	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.58	Hög
Ben bedömning	Låg	0.70	Hög
Fram juver	Svagt	-0.21	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.14	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.60	Brett
Juveligament	Svagt	0.30	Starkt
Juver djup	Djup	0.09	Grund
Spenplac fram	Vid	0.50	Tät
Spenplac bak	Vid	0.42	Tät
Spenlängd	Kort	0.11	Lång

MGD: S-S4 Doc Have Not 8784-ET

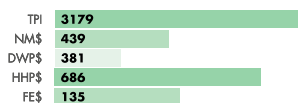


HADER

250H017215 DUCKETT HAYK HADER-ET
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003260843021 Stbmr: 94030 kodnr: 9-9117
HAYK X PERFECT X DOC

99% RHA DMS: 123 aAa: 234 B-Casein: A1A2 K-Casein: BB

INDEXES



PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

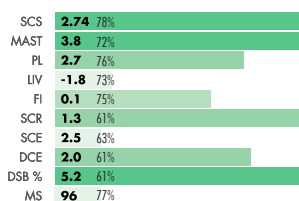


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

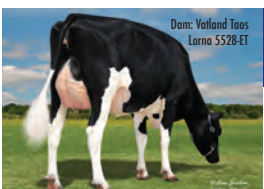
Dam: Duckett Perfect Hollie-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	2.33	Reslig
Styrka	Vek	1.82	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.47	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.77	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.80	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.57	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.36	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.52	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.55	Hög
Ben bedömning	Låg	1.25	Hög
Fram juver	Svagt	2.49	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.34	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.32	Brett
Juveligament	Svagt	0.64	Starkt
Juver djup	Djup	1.91	Grund
Spenplac fram	Vid	0.11	Tät
Spenplac bak	Vid	0.30	Tät
Spenlängd	Kort	1.46	Lång

Dam: Vatland Taos Lorna 5528-ET

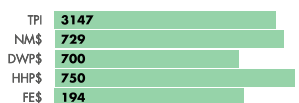


LOGIC

7H016835 VATLAND HENDEL LOGIC-ET
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003250270748 Stbmr: 94178 kodnr: 9-9213
FROST BITE X TAOS X RIVETING

99% RHA DMS: 345-135 aAa: 351 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB

INDEXES



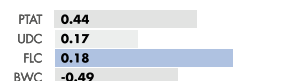
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

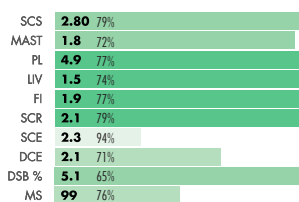


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Dam: Vatland Taos Lorna 5528-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.48	Reslig
Styrka	Vek	-0.37	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.70	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.13	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.01	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.37	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.18	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.38	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.12	Hög
Ben bedömning	Låg	0.25	Hög
Fram juver	Svagt	0.35	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.70	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.43	Brett
Juveligament	Svagt	-1.11	Starkt
Juver djup	Djup	-0.28	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.78	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.79	Tät
Spenlängd	Kort	0.64	Lång

Genomtestade Tjurar

	Identification	Namn	Härstamning	Stbnr	Kodnr	TPI	NMS	Mjolk	Säkerhet%	Protein	Fett	P + F
ABS	029H021849	SAMSUN	Sheepster x Gameday x Pursuit	94096	9-9210	3365	886	922	80	50	96	146
WWS	250H017022	KNACK	Figaro x Deluxe x Biggelo	94184	9-9225	3364	832	620	81	43	107	150
WWS	007H017378	ASSIST	Sheepster x Perfect x Legacy	94183	9-9224	3363	826	775	80	53	107	160
WWS	250H017513	TUBMAN	Sheepster x Perfect x Rapid	94185	9-9226	3338	736	1503	80	52	74	126
ABS	029H021599	JACKPOT	Montana x Taos x Lionel	94180	9-9215	3283	884	1843	79	59	101	160
WWS	007H017273	MARLON	Van Gogh x Perfect x Eisaku	94094	9-9173	3280	785	1331	80	52	84	136
WWS	250H016420	BOATSHOW	Gameday x Jurassic x Yoda	93800	9-8791	3270	761	427	82	42	108	150
WWS	007H017256	FRONTENAC	Kahn x Perfect x Rapid	94093	9-9172	3266	763	1511	81	55	91	146
WWS	007H017375	ODAYLE	Easton x Gameday x Granite	94095	9-9174	3257	785	686	80	42	71	113
WWS	007H017107	KAREEM	Esquire x Perfect x Lionel	93925	9-9094	3251	616	1117	81	49	67	116
ABS	029H021248	CALEB-P	Maxwell-P x Acura x Crimson	94179	9-9214	3248	886	1186	81	47	92	139
ABS	029H021135	GRENADE	Golden x Taos x Huey	94031	9-9119	3246	751	307	81	45	92	137
WWS	007H017700	HINGE	Blakely x Perfect x Doc	94099	9-9219	3234	474	874	80	39	61	100
ABS	029H021537	ZEST	Leeds x Gameday x Renegade	94091	9-9163	3231	852	871	79	45	92	137
ABS	029H020836	GENIUS	Gameday x Pursuit x Achiever	93606	9-8687	3229	772	394	83	26	93	119
WWS	250H017108	ESKIL	Esquire x Conway x Lionel	94097	9-9175	3228	661	1169	82	44	72	116
ABS	029H021452	PEOSTA-P	Pristine-P x Laker x Frazzled	94181	9-9216	3216	918	1007	80	44	96	140
ABS	094H021331	SWAGGER	Venom x Taos x Huey	94092	9-9171	3202	724	1145	81	54	94	148
WWS	250H017215	HADER	Hayk x Perfect x Doc	94030	9-9117	3179	439	733	82	48	56	104
WWS	007H016835	LOGIC	Frost Bite x Taos x Riveting	94178	9-9213	3147	729	515	82	39	63	102
WWS	007H017285	RUFUS	Hayk x Perfect x Simplicity-P-RC	94033	9-9133	3146	561	1019	81	44	64	108
ABS	029H020374	FRANKFURT	Foreman x Copyright x Hotspot	93922	9-9032	3103	657	1397	81	44	51	95
WWS	250H016930	SIMON	Holysmokes x Gameday x Renegade	94032	9-9128	3079	559	243	82	22	51	73
ABS	029H021067	MODERN	Memorial-P x Acura x Jared	94035	9-9135	3069	703	1341	82	59	62	121
ABS	029H021069	REALITY RC	Rocky-Red x Acura x Jared	93806	9-9022	3062	619	694	82	43	59	102
WWS	007H017428	PAMAZE-RED	Freestyle x Gameday x Mark	94182	9-9220	3013	455	671	81	30	45	75
WWS	007H016295	HAS IT ALL	Perfect x Doc x Jedi	93604	9-8685	2965	257	1207	82	37	36	73
WWS	250H016121	PARTAKE	Hanans x Delta-Lambda x Denver	93919	9-9027	2908	250	497	83	34	21	55

Avkommebedömda Tjurar

	Identification	Namn	Härstamning	Stbnr	Kodnr	TPI	NMS	Mjolk	Säkerhet%	Protein	Fett	P + F
WWS	014H015179	TROOPER	Renegade x Legendary x Josuper	93926	9-9096	3271	604	483	99	48	84	132
WWS	007H015465	CRUSHER	Calvary x Legendary x Josuper	94098	9-9176	3238	927	156	99	41	115	156
WWS	007H014454	LIONEL	Frazzled x Montross x Supersire	93513	9-8604	3204	856	2575	99	68	111	179
WWS	007H015937	ESQUIRE	Taos x Brass x Apprentice	94090	9-9161	3179	619	1852	90	55	40	95
WWS	007H014985	RUPERT	Renegade x Matters x Stoic	94039	9-9139	3166	664	1644	98	56	84	140
WWS	007H015112	TAOS	Renegade x Jedi x Tatum	93363	9-8549	3151	476	1267	99	55	48	103
WWS	250H015955	HARMONY	Perfect x Positive x Delta	93518	9-8654	3059	372	1022	88	43	65	108
WWS	007H015523	PARSLY	Town x Delta-Lambda x Denver	93204	9-8468	3046	505	1060	99	47	50	97
WWS	007H014160	LUSTER-P	Zipit-P x Kingboy x Supersire	92559	9-7852	2982	406	1081	99	27	46	73

Kötttras Tjurar

Kötttras	Identification	Namn	Härstamning	Stbnr	Kodnr	Pris kr	Pris sexad
Angus	29XB0072	NUERA T14 0144 -SEX	Payweight 1682 x Waylon W34	700820	7-1984		390
Angus	29AN2236	CASH4LIFE	Roseda Powerball23 x Thomas Lass 43221	701117	7-2150	100	390
Angus	829XB1092	NATIVE	3 x Angus		7-1984	150	
Hereford	29HP944	RANCHER	Fisher 1 Midas x Fisher x Jaguar	700576	7-1883	110	
Limosin	29LM0108	ONSLOW	Mereside Leo x Kaprico Ravelle	700490	7-1831	150	390
Hereford	29HP0957	TOLKEN	Moeskaer Ultra 1582 x Barwise 1 Wellington	701118	7-2151	100	
Simmental	79SM103M	JACK-PP	Molson 21M x Eclipse FF9R	700639	9-8148	110	
Wagu	9KB00003	HARU	Nakagishhiro x Studhiko417	700970	7-2066	210	
Sim-Angus	829XB0145	NUERA0145	Profit Driven x Nuera T14 Nana	701038	7-2110	150	

NINGEN 2025

Protein%	Fett%	TYP	Säkerhet%	JUVER	BEN	Kolvning F	Celltal	PL	FI	Mj hastig	SCR	Pris kr	Pris sexad	Svensk ID
0.07	0.21	0.93	79	0.76	0.78	2.5	2.72	4.7	0.3	104		320		800017-948-23
0.09	0.30	1.64	80	1.39	0.55	2.0	2.85	2.4	0.2	106	2.5	310	550	800017-1092-23
0.10	0.28	1.51	79	0.42	1.20	2.5	2.89	3.6	-0.5	104		310	550	800017-1091-23
0.01	0.04	1.57	79	1.19	1.14	2.4	2.90	4.2	1.5	102		350	580	800017-1093-23
0.00	0.09	0.69	78	0.51	-0.42	1.7	2.97	2.5	-0.2	103		290		800017-1039-23
0.03	0.10	0.99	79	0.72	1.01	2.2	2.85	4.2	-0.3	99	1.6	290	520	800017-845-23
0.10	0.34	1.20	81	0.93	0.09	2.6	2.66	2.5	-0.8	103	2.1	290	540	800017-0033-21
0.02	0.10	1.03	80	0.70	0.01	2.6	2.74	3.1	-0.4	98		290	520	800017-844-23
0.07	0.16	1.05	79	1.10	0.36	1.7	2.85	3.3	1.5	106		280	490	800017-852-23
0.05	0.08	1.42	79	1.17	1.26	2.1	2.81	3.0	1.5	102	-0.5	290	510	800017-467-22
0.03	0.16	0.43	78	0.14	0.46	1.9	2.90	3.8	0.3	100	-2.3	290	520	800017-1037-22
0.13	0.30	0.46	78	0.07	0.52	2.1	2.73	2.5	1.0	104		260	490	800017-545-22
0.04	0.09	2.67	79	2.28	1.43	2.2	2.92	2.3	0.8	104		310	570	800017-1075-23
0.06	0.21	0.44	78	0.38	-0.32	2.0	2.81	3.7	0.4	103		290	520	800017-787-23
0.05	0.29	1.54	82	1.29	0.23	2.4	2.75	2.6	0.1	106	2.4	220		800007-9498-21
0.02	0.09	2.00	79	1.44	1.13	2.3	2.87	3.1	-0.3	102	-0.5	290	510	800017-854-22
0.04	0.20	0.08	78	0.14	0.01	1.9	2.87	4.1	0.0	103		270		800017-1041-23
0.06	0.17	0.27	78	-0.14	0.40	2.5	2.95	2.2	0.4	100	0.8	270	490	800017-840-22
0.09	0.10	2.13	80	1.49	0.89	2.5	2.74	2.7	0.1	96	1.3	270	510	80017-543-22
0.08	0.16	0.44	81	0.17	0.18	2.3	2.80	4.9	1.9	99	2.1	240	440	800017-1035-22
0.04	0.08	1.64	80	1.10	0.43	2.8	2.84	2.5	0.0	103		270	490	800017-633-23
-0.01	-0.02	1.04	79	1.48	0.83	1.9	3.06	3.0	0.0	105		290		800017-242-22
0.05	0.15	0.75	81	1.16	0.79	1.8	2.66	4.2	1.3	100		260	490	800017-593-22
0.05	0.02	0.54	79	0.09	-0.02	2.7	3.04	3.0	-0.7	103	0.2	260	490	800017-636-22
0.07	0.11	0.53	79	0.16	0.79	2.1	2.97	2.8	0.3	102		270	490	800017-206-22
0.03	0.06	0.90	80	0.84	0.69	2.0	2.82	3.5	1.3	101		210	420	800017-1077-23
-0.01	-0.05	2.25	82	1.46	1.57	2.3	3.05	0.9	-0.4	95	0.0	240	450	800007-9492-21
0.07	0.00	2.37	82	1.67	1.41	2.3	3.10	0.9	-0.8	100	2.4	220	420	800017-234-21

Protein%	Fett%	TYP	Säkerhet%	JUVER	BEN	Kolvning F	Celltal	PL	FI	Mj hastig	SCR	Pris kr	Pris sexad	Svensk ID
0.12	0.24	1.16	96	0.60	2.13	2.4	3.00	2.9	1.4	101	-0.7	320		800017-472-19
0.14	0.41	0.21	96	-0.55	-0.43	2.3	2.86	3.5	0.1	102	1.7	260	460	80007-9954-19
-0.06	0.02	0.07	99	-0.09	-1.14	2.5	2.95	0.9	-0.9	98	-0.2	270	530	800007-9188-17
-0.02	-0.13	1.58	82	1.02	1.09	2.3	2.68	4.4	0.5	101	-1.9	280	440	800017-468-20
0.01	0.06	0.45	94	-0.10	0.67	2.8	3.01	1.9	0.6	101	-1.4	270	470	800017-647-19
0.05	-0.02	1.04	99	0.34	1.27	2.4	2.83	3.6	1.6	103	-2.2	310	540	800007-8885-19
0.30	0.08	2.14	82	1.69	0.98	2.9	3.05	0.1	-1.3	103	2.0	210		800007-9326-20
0.04	0.02	0.81	98	1.16	0.47	2.5	2.96	2.2	0.2	93	-0.1		420	800007-8473-19
-0.03	0.00	1.97	99	1.18	1.63	2.5	2.87	0.9	0.0	104	-1.3	290	510	800007-6707-16

TERMS OF USE: WARRANTY STATEMENT

Products sold by World Wide Sires, Ltd. or its affiliates to a buyer shall not be used other than as authorized by the terms and conditions in the sales invoice. Each conventionally processed semen straw (not sex sorted) shall be used only for insemination of a female bovine. ALL OTHER USES OF BOVINE SEMEN FROM WORLD WIDE SIRES, LTD. AND ITS AFFILIATES ARE STRICTLY PROHIBITED WITHOUT THE PRIOR WRITTEN CONSENT OF SELECT Sires INC. INCLUDING (WITHOUT LIMITATION) GENOTYPING, SEQUENCING, CLONING, GENETIC ANALYSIS, GENETIC MANIPULATION OR FOR RESEARCH. World Wide Sires, Ltd., Select Sires Inc., its member cooperatives, its agents or employees cannot and do not guarantee the conception rate, gender, quality or productivity to be obtained in connection with the use of its products or recommended techniques. It makes no warranties of any kind whatsoever, expressed or implied, which extend beyond the description of its products and hereby disclaims all warranties of merchantability and fitness for a particular purpose. In the unlikely event that any of our products shall be proven to be defective, damages resulting from their use shall exclude consequential damages and be limited to the purchase price of the product.

Limitations and Conditions of Sale: gender SELECTED semen shall be used only for the single insemination of one female bovine during natural ovulation with the intent to produce single offspring unless specifically approved on an individual customer basis by Sexing Technologies in writing. As a condition of purchasing gender SELECTED semen, the purchaser agrees that gender SELECTED semen will not be reverse sorted or re-sorted unless specifically permitted, in advance, on a case-by-case basis by Select Sires in writing. Select Sires intends to monitor the use of the gender SELECTED semen and vigorously enforce these restrictions on use. Please see <http://www.selectsires.com/designations/gendersselected.html> for additional details.



"GForce", "GForce+", "Showcase", and "Elite Sexed Fertility" are trademarks of Select Sires Inc.



"FeedPRO", "RobotPRO", "MasitisResistantPRO", "FertilityPRO" and "GrazingPRO" are registered trademarks of Select Sires Inc.



All *gender* SELECTED semen is processed using Ultraplus™ technology. Ultraplus is a trademark of STGen LLC. "gender" SELECTED semen is a trademark of Select Sires Inc.



*Select Sires, *Generations and *Accelerated Genetics are registered trademarks of Select Sires Inc.



WORLD WIDE Sires, LTD.®



MGD: Trent-Way JS Redzone-Red-ET

RUFUS*RC

7H017285 TRENT-WAY RUFUS-ET

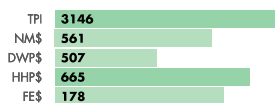
RC TP TM TC TY TV TL TD TE HHIT HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003261835781 Sifnr: 94033 kodnr: 9-9133

HAYK X PERFECT X SIMPLICITY-P*RC

99% RHA DMS: 123-135 aAa: 435 B-Casein: A1A2 K-Casein: BB

INDEXES



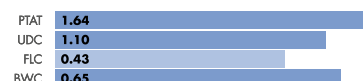
PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

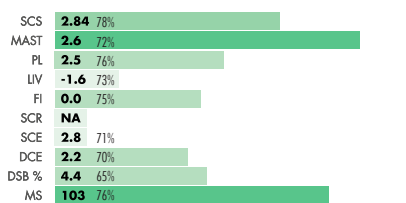


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval. 4-25, CDN Genomic Eval. 4-25, Zoetis 4-25

Dam: Trent-Way Resbit-ET



© Lisa Jackson Light Photography

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.14	Reslig
Styrka	Vek	0.89	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.88	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.08	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.07	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.27	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.25	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.73	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.42	Hög
Ben bedömning	Låg	0.68	Hög
Fram juver	Svagt	1.55	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.78	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.74	Brett
Juveligament	Svagt	0.43	Starkt
Juver djup	Djup	0.83	Grund
Spenplac fram	Vid	0.23	Tät
Spenplac bak	Vid	0.28	Tät
Spenlängd	Kort	0.66	Lång

FRANKFURT

29H020374 GENHOTEL OEH

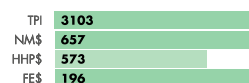
HHIT HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T MWT

H0DEU000364593877 Sifnr: 93922 kodnr: 9-9032

FOREMAN X COPYRIGHT X HOTSPOT P

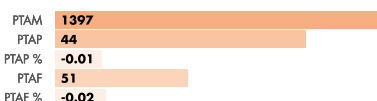
0% RHA DMS: aAa: 243 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB

INDEXES



PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

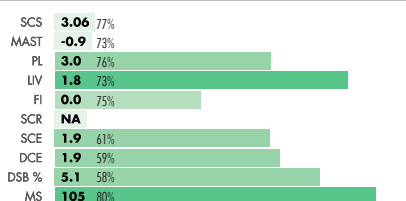


TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval. 4-25, CDN Genomic Eval. 4-25, Zoetis 4-25

Genhotel OEH Frankfurt



Jane Steel

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.21	Reslig
Styrka	Vek	-0.51	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.31	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.99	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.08	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.56	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.73	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.87	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.64	Hög
Ben bedömning	Låg	0.71	Hög
Fram juver	Svagt	1.30	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.07	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.14	Brett
Juveligament	Svagt	-0.21	Starkt
Juver djup	Djup	1.10	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.27	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.78	Tät
Spenlängd	Kort	0.28	Lång



5th Dam: S-S-I Moonry Myesha 9071-ET

SIMON

250H016930 S-S-I HOLYSMOKES SIMON-ET

TR TP TM TC TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003252556869 S1bnr: 94032 kodnr: 9-9128

HOLYSMOKES X GAMEDAY X RENEGADE

99% RHA DMS: 345-456 aAa: 546 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB

INDEXES

TPI	3079
NM\$	559
DWP\$	728
HHP\$	667
FE\$	126

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	243
PTAP	22
PTAP %	0.05
PTAF	51
PTAF %	0.15

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

PTAT	0.75
UDC	1.16
FLC	0.79
BWC	-0.23

HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS	2.66	79%
MAST	4.2	72%
PL	4.2	76%
LIV	0.9	73%
FI	1.3	76%
SCR	NA	%
SCE	1.8	63%
DCE	2.5	62%
DSB %	4.7	61%
MS	100	79%



CDCB and HA Genomic Eval. 4-25, CDN Genomic Eval. 4-25, Zoetis 4-25

MGD: S-S-I Renegade 7672 10751-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.92	Reslig
Styrka	Vek	-0.34	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.83	Djup
Mjölktyp	Täta revben	-0.75	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	-0.37	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.63	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.23	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.48	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.70	Hög
Ben bedömning	Låg	0.55	Hög
Fram juver	Svagt	1.80	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.32	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.74	Brett
Juveligament	Svagt	-0.80	Starkt
Juver djup	Djup	1.28	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.70	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.99	Tät
Spenlängd	Kort	0.58	Lång



MGD: Cookiecutter DTA Habiten-ET

MODERN

29H021067 DENOVO 19481 MODERN-ET

TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003253682842 S1bnr: 94035 kodnr: 9-9135

MEMORIAL-P X ACURA X JARED

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: BB

INDEXES

TPI	3069
NM\$	703
HHP\$	621
FE\$	237

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	1341
PTAP	59
PTAP %	0.05
PTAF	62
PTAF %	0.02

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.

PTAT	0.54
UDC	0.09
FLC	-0.02
BWC	-0.39

HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS	3.04	79%
MAST	-1.3	72%
PL	3.0	77%
LIV	0.0	73%
FI	-0.7	76%
SCR	0.2	79%
SCE	2.7	85%
DCE	2.5	71%
DSB %	4.6	65%
MS	103	76%



CDCB and HA Genomic Eval. 4-25, CDN Genomic Eval. 4-25, Zoetis 4-25

MGD: AOT Jared Haskel



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.25	Reslig
Styrka	Vek	0.24	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.51	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.58	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.49	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.91	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.52	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.20	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.27	Hög
Ben bedömning	Låg	0.14	Hög
Fram juver	Svagt	-0.67	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.41	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.67	Brett
Juveligament	Svagt	0.73	Starkt
Juver djup	Djup	-1.20	Grund
Spenplac fram	Vid	0.33	Tät
Spenplac bak	Vid	0.43	Tät
Spenlängd	Kort	0.56	Lång



MGD: Cookiecutter DTA Habitan-ET

REALITY*RC

29H021069 DENOVO 80141 REALITY-ET

RC TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003249882045 S1bnr: 93806 kodnr: 9-9022

ROCKY-RED X ACURA X JARED

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: BB

INDEXES

TPI	3062
NM\$	619
HHP\$	618
FE\$	187

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	694
PTAP	43
PTAP %	0.07
PTAF	59
PTAF %	0.11

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.

PTAT	0.53
UDC	0.16
FLC	0.79
BWC	0.13

HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS	2.97	77%
MAST	-0.2	72%
PL	2.8	76%
LIV	1.8	72%
FI	0.3	75%
SCR	NA	
SCE	2.1	81%
DCE	2.1	71%
DSB %	4.6	66%
MS	102	77%

Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%

CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

MGD: AOT Jared Haske



© Cybil Fisher

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.31	Reslig
Styrka	Vek	0.47	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.62	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.95	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.66	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.48	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.85	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.81	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.11	Hög
Ben bedömning	Låg	0.87	Hög
Fram juver	Svagt	0.08	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.50	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.00	Brett
Juveligament	Svagt	-0.19	Starkt
Juvel djup	Djup	-0.36	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.02	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.35	Tät
Spenlängd	Kort	0.29	Lång



Siemers Pamaze-Red-ET

PAMAZE-RED

7H017428 SIEMERS PAMAZE-RED-ET

TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003267428205 S1bnr: 94182 kodnr: 9-9220

FREESTYLE-RED X GAMEDAY X MARK *RC

99% RHA DMS: 234-345 aAa: 465 B-Casein: A1A2 K-Casein: AA

INDEXES

TPI	3013
NM\$	455
DWP\$	623
HHP\$	542
FE\$	104

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

PTAM	671
PTAP	30
PTAP %	0.03
PTAF	45
PTAF %	0.06

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

PTAT	0.90
UDC	0.84
FLC	0.69
BWC	0.66

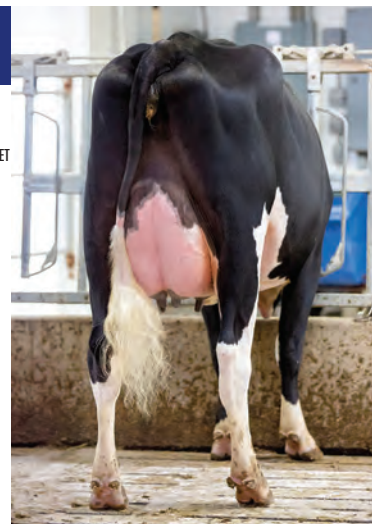
HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS	2.82	78%
MAST	0.7	73%
PL	3.5	77%
LIV	0.6	73%
FI	1.3	76%
SCR	NA	
SCE	2.0	61%
DCE	2.0	60%
DSB %	5.3	59%
MS	101	78%

Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%

CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Dam: Siemers GD Paris 36374-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.76	Reslig
Styrka	Vek	0.42	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.11	Djup
Mjölktyp	Täta revben	-0.12	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.72	Brett
Korsluttning	Höga bärben	1.16	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.77	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.93	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.76	Hög
Ben bedömning	Låg	0.78	Hög
Fram juver	Svagt	1.14	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.97	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.89	Brett
Juveligament	Svagt	0.43	Starkt
Juvel djup	Djup	1.19	Grund
Spenplac fram	Vid	0.70	Tät
Spenplac bak	Vid	0.39	Tät
Spenlängd	Kort	0.28	Lång

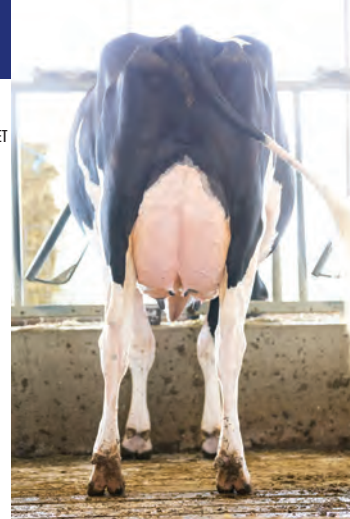


PARTAKE

250H016121 SIEMERS H PARTAKE 35318-ET
TR TP TC TY TV TL TD TE HHIT HHZT HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003229290983 S1bnr: 93919 kodnr: 9-9027
HANANS X DELTA-LAMBDA X DENVER

99% RHA DMS: 234-246 aAa: 156 B-Casein: A2A2 K-Casein: BB

Dam: Siemers Lmda Paris 27856-ET



INDEXES

TPI **2908**
NM\$ **250**
DWP\$ **297**
HHP\$ **254**
FE\$ **95**

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 83% Rel.

PTAM **497**
PTAP **34**
PTAP % **0.07**
PTAF **21**
PTAF % **0.00**

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAT **2.37**
UDC **1.67**
FLC **1.41**
BWC **0.23**

HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS **3.10** 80%
MAST **1.1** 76%
PL **0.9** 80%
LIV **-2.0** 75%
FI **-0.8** 79%
SCR **2.4** 96%
SCE **2.3** 96%
DCE **1.6** 70%
DSB % **4.6** 64%
MS **100** 80%

Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.69	Reslig
Styrka	Vek	0.64	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.51	Djup
Mjölktyp	Täta revben	2.49	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	2.51	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.57	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.58	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	2.21	Parallell
Kotvinkel	Låg	2.03	Hög
Ben bedömning	Låg	1.49	Hög
Fram juver	Svagt	1.53	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	3.11	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	3.06	Brett
Juveligament	Svagt	1.48	Starkt
Juver djup	Djup	0.17	Grund
Spenlac fram	Vid	1.70	Tät
Spenlac bak	Vid	1.81	Tät
Spenlängd	Kort	0.49	Lång



HAS IT ALL

7H016295 DUCKETT PFCT HAS IT ALL-ET
TR TP TC TY TV TL TD TE HHIT HHZT HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003235342391 S1bnr: 93604 kodnr: 9-8685
PARFECT X DOC X JEDI

99% RHA DMS: 123-126 aAa: 135 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB

Dam: S-S1 Doc Have Not 8784-ET



INDEXES

TPI **2965**
NM\$ **257**
DWP\$ **221**
HHP\$ **354**
FE\$ **98**

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM **1207**
PTAP **37**
PTAP % **-0.01**
PTAF **36**
PTAF % **-0.05**

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAT **2.25**
UDC **1.46**
FLC **1.57**
BWC **1.41**

HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS **3.05** 79%
MAST **1.7** 75%
PL **0.9** 78%
LIV **-3.5** 75%
FI **-0.4** 79%
SCR **0.0** 97%
SCE **2.3** 98%
DCE **2.3** 70%
DSB % **5.2** 65%
MS **95** 81%

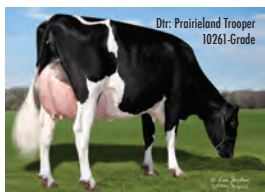
Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.96	Reslig
Styrka	Vek	1.80	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.77	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.53	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	2.79	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.96	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.33	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	2.65	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.69	Hög
Ben bedömning	Låg	1.37	Hög
Fram juver	Svagt	1.58	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.14	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	3.11	Brett
Juveligament	Svagt	1.45	Starkt
Juver djup	Djup	0.01	Grund
Spenlac fram	Vid	0.53	Tät
Spenlac bak	Vid	1.25	Tät
Spenlängd	Kort	1.24	Lång

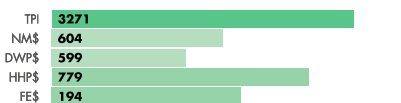


TROOPER

14H015179 PLAIN-KNOLL RENEGAD TROOPER
TR TP TC TY TV TL TD TE HHIT HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003149934610 SIBNR: 93926 kodnr: 9-9096
RENEGADE X LEGENDARY X JOSUPER

99% RHA DMS: 456-345 aAa: 432 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB

INDEXES



PRODUCTION

3066 Dtrs/ 378 Herds 99% Rel.

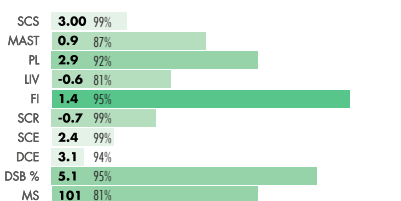


TYPE

287 Dtrs/ 74 Herds 96% Rel.



HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%

AcceleratedGenetics



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25



Dtr: PrairieLand Trooper 10334-Grade

© Leon Jordan
Light Pictor Photography

GUSA-HA Evaluation 4/25 287 Dtrs/74 Herds

Storlek	Låg	0.49	Reslig
Styrka	Vek	0.85	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.18	Djup
Mjölktyp	Täta revben	-0.54	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.14	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-1.01	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.10	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	2.79	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.37	Hög
Ben bedömning	Låg	1.91	Hög
Fram juver	Svagt	1.22	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.06	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.81	Brett
Juveligament	Svagt	0.07	Starkt
Juver djup	Djup	0.43	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.44	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.19	Tät
Spenlängd	Kort	0.79	Lång



CRUSHER

7H015465 PLAIN-KNOLL CRUSHER-ET
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HHIT HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003149934677 SIBNR: 94098 kodnr: 9-9176
CALVARY X LEGENDARY X JOSUPER

99% RHA DMS: 135-345 aAa: 243 B-Casein: A1A2 K-Casein: AA

INDEXES



PRODUCTION

1626 Dtrs/ 107 Herds 99% Rel.

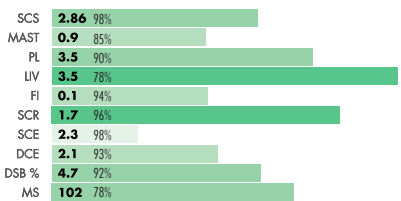


TYPE

237 Dtrs/ 35 Herds 96% Rel.



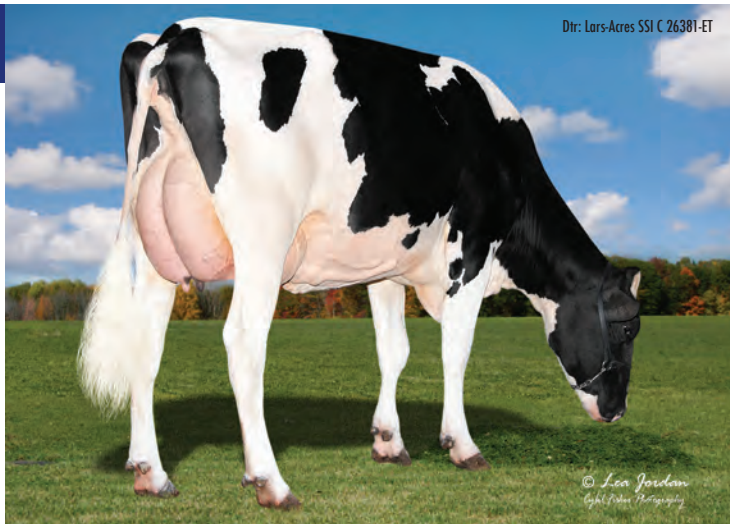
HEALTH AND FERTILITY TRAITS



Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25



Dtr: Lars-Acres SSI C 26381-ET

© Leon Jordan
Light Pictor Photography

GUSA-HA Evaluation 4/25 237 Dtrs/35 Herds

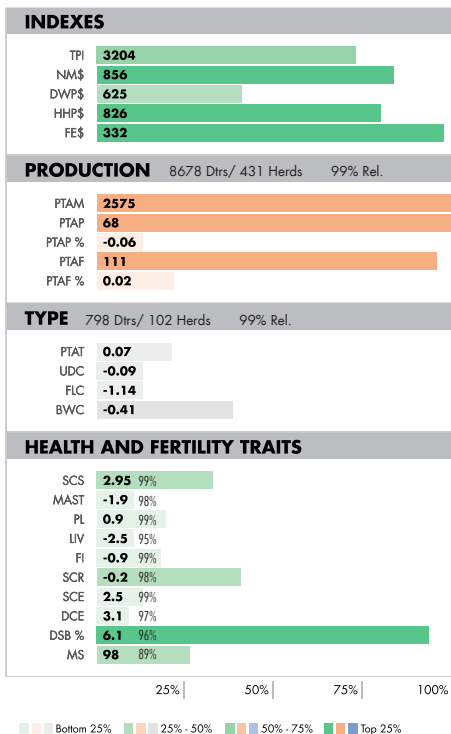
Storlek	Låg	0.84	Reslig
Styrka	Vek	0.05	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.29	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.95	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.84	Brett
Korsluttning	Höga bärben	1.57	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.18	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.58	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.66	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.08	Hög
Fram juver	Svagt	-0.74	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.04	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.91	Brett
Juveligament	Svagt	-0.14	Starkt
Juver djup	Djup	-0.85	Grund
Spenplac fram	Vid	-1.28	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.86	Tät
Spenlängd	Kort	1.59	Lång

Dtr: Synergy SSI
Dixie 10672-ET

LIONEL

7H014454 MR T-SPRUCE FRAZZ LIONEL-ET
TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003142490309 S1bnr: 93513 kodnr: 9-8604
FRAZZLED X MONTROSS X SUPERSIRE

98% RHA DMS: 345-135 aAa: 423 B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25



GUSA-HA Evaluation 4/25 798 Dtrs/102 Herds

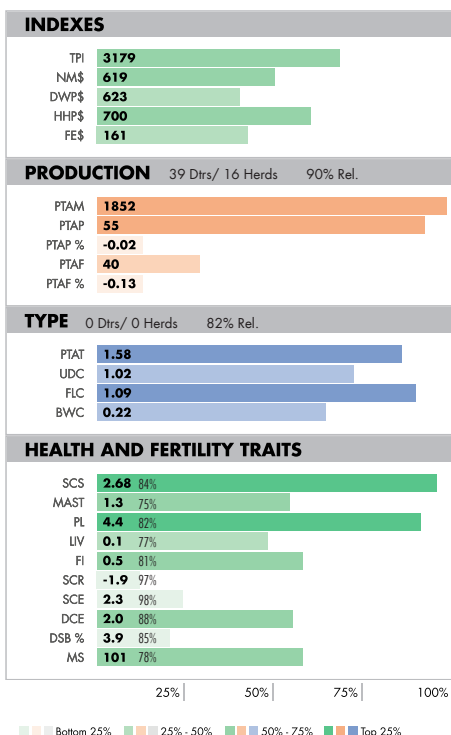
Storlek	Låg	0.08	Reslig
Styrka	Vek	0.39	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.33	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.98	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.14	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.79	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.19	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-1.06	Parallell
Kotvinkel	Låg	-1.37	Hög
Ben bedömning	Låg	-1.00	Hög
Fram juver	Svagt	-0.91	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.64	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.47	Brett
Juveligament	Svagt	-0.97	Starkt
Juver djup	Djup	-2.11	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.56	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.10	Tät
Spenlängd	Kort	0.19	Lång

Dtr: Lars-Acres Esquire
28408-ET

ESQUIRE

7H015937 SANDY-VALLEY ESQUIRE-ET
TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
H0840003209481391 S1bnr: 94090 kodnr: 9-9161
TAOS X BRASS X APPRENTICE*RC

99% RHA DMS: 135-561 aAa: 423 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.99	Reslig
Styrka	Vek	0.41	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.22	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.76	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.19	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.12	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.02	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.39	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.62	Hög
Ben bedömning	Låg	1.21	Hög
Fram juver	Svagt	1.05	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.21	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.22	Brett
Juveligament	Svagt	1.07	Starkt
Juver djup	Djup	1.36	Grund
Spenplac fram	Vid	0.76	Tät
Spenplac bak	Vid	0.99	Tät
Spenlängd	Kort	0.72	Lång

Dtr: Lars-Arces
Rupert Stelle

RUPERT

7H014985 S-S-I RENEGADE RUPERT-ET

TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003202794675 Sifnr: 94039 kodnr: 9-9139

RENEGADE X MATTERS X STOIC

99% RHA DMS: 345-234 aAa: 342 B-Casein: A2A2 K-Casein: BB

INDEXES

TPI	3166
NM\$	664
DWP\$	681
HHP\$	751
FE\$	237

PRODUCTION

1634 Dtrs/ 337 Herds 98% Rel.

PTAM	1644
PTAP	56
PTAP %	0.01
PTAF	84
PTAF %	0.06

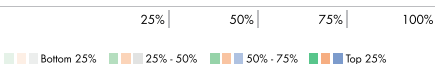
TYPE

486 Dtrs/ 135 Herds 94% Rel.

PTAT	0.45
UDC	-0.10
FLC	0.67
BWC	0.45

HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS	3.01	97%
MAST	-0.3	83%
PL	1.9	93%
LIV	-2.0	82%
FI	0.6	92%
SCR	-1.4	98%
SCE	2.8	99%
DCE	2.3	89%
DSB %	4.6	85%
MS	101	87%

CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Dtr: Lars-Arces Rupert Toya

© Lars Jordan
Lynell Peters Photography

GUSA-HA Evaluation 4/25 486 Dtrs/135 Herds

Storlek	Låg	0.14	Reslig
Styrka	Vek	0.77	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.41	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.04	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	-0.87	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.40	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.36	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.47	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.53	Hög
Ben bedömning	Låg	0.43	Hög
Fram juver	Svagt	0.02	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.27	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.54	Brett
Juveligament	Svagt	-0.03	Starkt
Juver djup	Djup	-0.40	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.56	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.15	Tät
Spenlängd	Kort	1.92	Lång



Dtr: DG Erlend

TAOS

7H015112 LEANINGHOUSE TAOS-ET

TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003151003682 Sifnr: 93363 kodnr: 9-8549

RENEGADE X JEDI X TATUM

99% RHA DMS: 123-234 aAa: 324 B-Casein: A1A2 K-Casein: BB

INDEXES

TPI	3151
NM\$	476
DWP\$	395
HHP\$	709
FE\$	124

PRODUCTION

5289 Dtrs/ 864 Herds 99% Rel.

PTAM	1267
PTAP	55
PTAP %	0.05
PTAF	48
PTAF %	-0.02

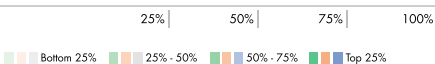
TYPE

2262 Dtrs/ 475 Herds 99% Rel.

PTAT	1.04
UDC	0.34
FLC	1.27
BWC	1.94

HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS	2.83	99%
MAST	0.9	91%
PL	3.6	96%
LIV	-0.2	85%
FI	1.6	96%
SCR	-2.2	98%
SCE	2.4	99%
DCE	1.9	97%
DSB %	4.4	95%
MS	103	91%

CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Dtr: Sandy-Valley Tencel-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25 2262 Dtrs/475 Herds

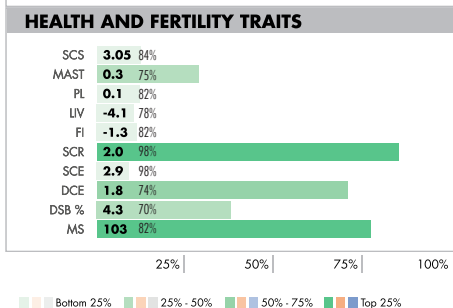
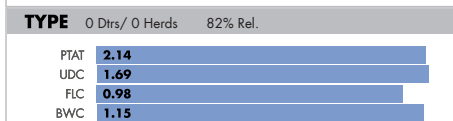
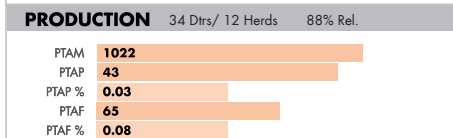
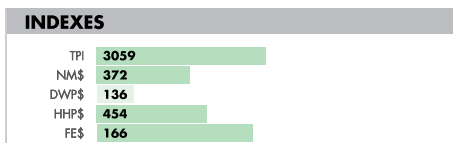
Storlek	Låg	1.65	Reslig
Styrka	Vek	1.34	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.30	Djup
Mjölktyp	Täta revben	-1.01	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.57	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.18	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.29	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.74	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.37	Hög
Ben bedömning	Låg	1.48	Hög
Fram juver	Svagt	1.32	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.34	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.44	Brett
Juveligament	Svagt	0.41	Starkt
Juver djup	Djup	1.66	Grund
Spenplac fram	Vid	0.05	Tät
Spenplac bak	Vid	0.11	Tät
Spenlängd	Kort	2.01	Lång

MGD: Cookiecutter DTA Hobbiton-ET

HARMONY

250H015955 AOT PERFECT HARMONY-ET
 TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T
 H0840003220248849 S1bmr: 93518 kodnr: 9-8654
PERFECT X POSITIVE X DELTA

99% RHA DMS: 234-345 aAa: 423 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval.
 4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
 Zoetis 4-25



GUSA-HA Evaluation 4/25 0 Dtrs/0 Herds

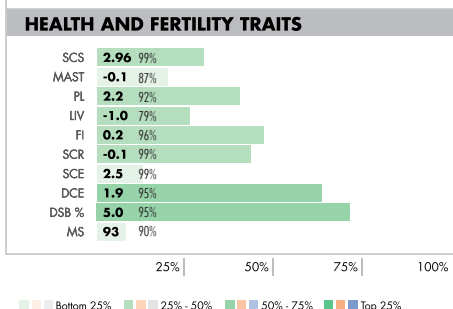
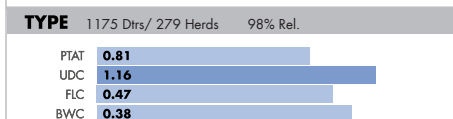
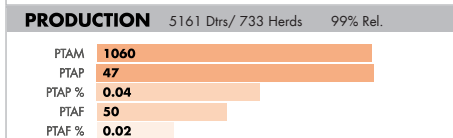
Storlek	Låg	1.65	Reslig
Styrka	Vek	1.43	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.59	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.70	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	2.40	Brett
Korsluttning	Höga bärben	1.42	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.16	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.73	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.20	Hög
Ben bedömning	Låg	1.12	Hög
Fram juver	Svagt	2.09	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.13	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.72	Brett
Juveligament	Svagt	1.87	Starkt
Juvel djup	Djup	1.08	Grund
Spenplac fram	Vid	1.43	Tät
Spenplac bak	Vid	2.06	Tät
Spenlängd	Kort	0.29	Lång

Dir: Lars-Arces Parsly Floral-ET

PARSLY

7H015523 SIEMERS TWN PARSLY 32480-ET
 TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH5C HH1T HH2T HH3T HH4T HH6T
 H0840003208357105 S1bmr: 93204 kodnr: 9-8468
TOWN X DELTA-LAMBDA X DENVER

99% RHA DMS: 561-126 aAa: 324 B-Casein: A2A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval.
 4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
 Zoetis 4-25



GUSA-HA Evaluation 4/25 1175 Dtrs/279 Herds

Storlek	Låg	0.61	Reslig
Styrka	Vek	0.50	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.57	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.84	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.32	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.34	Sluttande
Ben sidan	Rak	-1.12	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.38	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.21	Hög
Ben bedömning	Låg	0.33	Hög
Fram juver	Svagt	0.56	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.11	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.77	Brett
Juveligament	Svagt	1.22	Starkt
Juvel djup	Djup	0.24	Grund
Spenplac fram	Vid	0.58	Tät
Spenplac bak	Vid	1.21	Tät
Spenlängd	Kort	0.10	Lång



LUSTER-P

7H014160 CHERRY-LILY ZIP LUSTER-P-ET

TR PC TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

H0840003138843085 Stbnr: 92559 kodnr: 9-7852

ZIPIT-P X KINGBOY X SUPERSIRE

99% RHA DMS: 234-123 aAa: 432516 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB

INDEXES

TPI	2982
NM\$	406
DWP\$	210
HHP\$	339
FE\$	132

PRODUCTION

25853 Dtrs/ 4966 Herds 99% Rel.

PTAM	1081
PTAP	27
PTAP %	-0.03
PTAF	46
PTAF %	0.00

TYPE

10339 Dtrs/ 2652 Herds 99% Rel.

PTAT	1.97
UDC	1.18
FLC	1.63
BWC	-0.03

HEALTH AND FERTILITY TRAITS

SCS	2.87	99%
MAST	-2.4	97%
PL	0.9	99%
LIV	-1.2	96%
FI	0.0	99%
SCR	-1.3	99%
SCE	2.5	99%
DCE	2.4	98%
DSB %	4.2	99%
MS	104	99%

Bottom 25% 25% - 50% 50% - 75% Top 25%



CDCB and HA Genomic Eval.
4-25, CDN Genomic Eval. 4-25,
Zoetis 4-25

Dtr: Siemers Lstr Hanan 33317-ET



GUSA-HA Evaluation 4/25

10339 Dtrs/2652 Herds

Storlek	Låg	1.39	Reslig
Styrka	Vek	0.57	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.31	Djup
Mjölktyp	Täta revben	2.50	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.85	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.29	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.27	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	2.32	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.83	Hög
Ben bedömning	Låg	1.77	Hög
Fram juver	Svagt	1.02	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.31	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.36	Brett
Juveligament	Svagt	1.32	Starkt
Juvel djup	Djup	0.15	Grund
Spenplac fram	Vid	0.48	Tät
Spenplac bak	Vid	0.64	Tät
Spenlängd	Kort	0.72	Lång

Beskrivning egenskaper

SCS = Celltal medel 3.0

LIV = Livsvilja medel 0 % +/-

MAS = Mastit medel 0 % +/-

PL = Produktiv livslängd medel uttryckt månader

DPR = Daughter pregnancy rate medel 0 1 enhet = 4 dagar

HCR = Dotter fruktsamhet kvigor % +/-

CCR = Dotter fruktsamhet kor % +/-

FI = Kombinerat Fertilitets index

SCE = Kalvningssvårigheter far % svåra kalvningar

DCE = Kalvningssvårigheter morfar % svåra kalvningar

DSB = Dödfödslar morfar % döda inom 48 timmar

SCR = Sperma fertilitet uttryckt i % +/-

MS = Mjölkhastighet 100 medel

TYPE = Helhetsbedömning exteriör

UDC = Juver index

FLC = Ben index

BWC = Kroppsvikt index

NM\$ = Ekonomiskt total index

TPI = Total index Produktion, Hälsa, Exteriör



The genetic evaluations contained within this report, unless otherwise noted, are provided by the Council on Dairy Cattle Breeding as the steward of the National Cooperator Database. The National Cooperator Database houses producer-owned yield, management, ancestry, type, and genotype data for the use in genetic evaluations and independent research. Data included in the National Cooperator Database is submitted through certified organizations for data quality and integrity. As such, individual traits - along with Lifetime Net Merit \$, Cheese Merit \$, Fluid Merit \$, and Grazing Merit \$ - are Powered by CDCB, unless otherwise noted such as Holstein type traits. For more information about evaluations Powered by CDCB and the industry collaboration that fuels them, visit <https://uscdcb.com/cdcb-marks/>

April Bedömningen 2025

TROOPER fördubblar antal mjölkande döttrar och har nu över 3000 döttrar i sin bedömning. Han ligger fortsatt mycket stabilt i sina avelsvärden.

CRUSHER adderar nästan 600 döttrar till sin bedömning och ligger även han stabilt med extremt höga halter 0.41% Fett, 0,14% Protein, vilket ger +156 Lbs F+P. Detta med högt överlevnadstal, låga celltal och juver för Robotssystem.

Även **TAOS** ökar antalet döttrar och stiger till 3151 TPI med extremt bra spenplacering, spenlängd och bra mjölkflöde passar han alla mjölkningssystem.

Nya tjurar är Sheepster sönerna **ASSIST** & **TUBMAN** samt Figaro sonen **KNACK**, samtliga över 3300 TPI

Dessa Sheepster söner levererar i allra högsta grad den moderna Holstein kon!

ASSIST ger hög produktion 160Lbs F+P med låga celltal, hög överlevnad 3.6 PL och ett mycket bra förhållande mellan styrka & reslighet. Mycket bra ben med vinkel till hasen och idealiska juver oavsett mjölkningssystem.

TUBMAN levererar lite mer mjölmängd än sin halvbror 1503 Lbs. Även han med låga celler, hög överlevnad 4.2 PL & 1.5 Fertilitets Index. Exteriört har han en väldigt komplett profil precis **ASSIST** som inte lämnar mycket mer att önska!

KNACK är en Figaro son efter Aot Deluxe HILighted EX91 som går tillbaka på den otroligt starka Halo/Dellia familjen. Han är en otroligt komplett allround tjur som presterar på en hög nivå inom samtliga områden. Lätta kalvningar & snabbmjölkade 106 mjölk hastighet med juver som passar robot system.

Nya tjurar sedan sist är även de Pollade tjurarna **CALEB-P** & **PEOSTA-P** som passar bra i robotsystem, samt den röda Holstein tjuren **PAMAZE-RED** med 3013 TPI från en sidogren av Sandy-Valley **PARIS** familjen som ger nytt blod för röd Holstein.

Sedan 1/4 arbetar Magnus Andersson för oss på HB Genetics. Han har sedan tidiga tonåren ett brinnande avelsintresse och har tidigare jobbat som lagårdsförman och även varit verksam inom vår bransch. Magnus kommer huvudsakligen vara ansvarig för genomisk testning och World Wide Sires Mating Program WMS som vi kommer köra i gång under sommaren.

Basändring!

Vart 5e år ändrar USA baspopulation för vilka djur som avelsvärdena baseras på. Detta görs för att korrigera för de avelsframsteg som gjorts inom raserna.

Vid aprilbedömningen genomfördes denna basändring från djur födda 2015 till djur födda 2020. I tabellen nedan likaså på tjurarnas bedömningar ser vi därför ganska stora förändringar för en del avelsvärden mot vad vi är vana vid. Till exempel mjölk, som minskat med 750 Lbs, det vill säga en tjur som innan basändringen hade 1000 Lbs har idag 250 Lbs.

Aldrig någonsin tidigare har avelsframsteget varit så här stort mellan två basändringar, därav denna dramatiska förändring av vissa avelsvärden. Detta är således något oerhört positivt då medel idag är mycket högre än tidigare! Detta upplever vi nog alla ute i besättningarna men här får vi det svart på vit i siffror. Holstein rasen tar enorma steg in i framtiden!

Egenskap	Ändring
Mjölk	750 lbs
Fett	45 lbs
Protein	30 lbs
Celltal (SCS)	-0.1
Överlevnad (PL)	2.5
Daughter Pregnancy Rate (DPR)	-0.20%
Heifer Conception Rate (HCR)	1%
Cow Conception Rate (CCR)	0.5%
Cow Livability	0.5%
Heifer Livability	0.5%
Mastit	0.8
Foder intag	-40
Net Merit Dollar (NM\$)	404
Typ	0.58
Juver (UDC)	0.81
Ben (FLC)	0.12

Linjära Egenskaper	Ändring
Storlek	0.34
Styrka	0.03
Kroppsdjup	0
Mjölktyp	0.44
Kors bredd	0.25
Korsluttning	-0.02
Ben sidan	-0.01
Ben bakifrån	0.2
Fram juver	0.92
Bakjuver höjd	1.05
Bakjuver bredd	0.95
Juverligament	0.33
Juver djup	0.7
Spenplac fram	0.36
Spenplac bak	0.39
Spenlängd	-0.28

TOPP5

MJÖLK	Lbs
LIONEL	+2575
ESQUIRE	+1852
JACKPOT	+1843
RUPERT	+1644
FRONTENAC	+1511

FETT + PROTEIN	Lbs
LIONEL	+179
ASSIST	+160
JACKPOT	+160
CRUSHER	+156
KNACK	+150

SCR	
KNACK	+2.5
PARTAKE	+2.4
GENIUS	+2.4
BOATSHOW	+2.1
LOGIC	+2.1

PL (överlevande tal)	
LOGIC	+4.9
SAMSUN	+4.7
ESQUIRE	+4.4
TUBMAN	+4.2
MARLON	+4.2

FI (Fertilitet)	
LOGIC	+1.9
TAOS	+1.6
ODAYLE	+1.5
TUBMAN	+1.5
KAREEM	+1.5

Mjolk hastighet	
ODAYLE	106
KNACK	106
GENIUS	106
FRANKFURT	105
LUSTER-P	104

TYP	
HINGE	+2.67
PARTAKE	+2.37
HAS IT ALL	+2.25
HARMONY	+2.14
HADER	+2.13

JUVER	
HINGE	+2.28
HARMONY	+1.69
PARTAKE	+1.67
HADER	+1.49
FRANKFURT	+1.48

BEN	
TROOPER	+2.13
LUSTER-P	+1.63
HAS IT ALL	+1.57
HINGE	+1.43
PARTAKE	+1.41



Nybygget Rörsberga 521 96 Falköping

Email: info@hbgenetics.com • www.hbgenetics.com

HANS MAGNUSSON

Mobil: 0703-552249
Kontor: 0515-31081
hbgenetics.hm@gmail.com

MIKAEL HELLZEN

Mobil: 0706-315440
mikael.hellzen@hotmail.com

MAGNUS ANDERSSON

Mobil: 076-8783537
magnus@hbgenetics.com

MARTIN BLOMSTER

Mobil: 0707-544477
martin.blomster@hotmail.com

BRITA MAGNUSSON

Kontor: 0515-31081
Mobil: 070-7920792
brita@hbgenetics.com



WORLD WIDE SIRES, LTD.