



TJURKATALOG

DECEMBER 2025



Laurens Rallon

Perfect

FOONBURTON

INDEXES

TPI	3497
NM	1063
HHP\$	1128
FE	363

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 82% Rel.

PTAM	1355
PTAP	59
PTAP %	0.05
PTAF	140
PTAF %	0.30
CFP	199

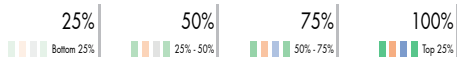
TYPE

0 Dtrs/0 Herds 81% Rel.

PTAT	0.68
UDC	0.65
FLC	0.04
BWC	-0.16

MANAGEMENT

SCS	2.92	79%
MAST	1.7	72%
PL	3.8	77%
LIV	-0.5	74%
FI	-0.2	76%
SCR	1.4	63%
SCE	1.4	72%
DCE	2.0	70%
MS	7.19	64%



MGD: Pen-Col Legacy Best-ET



Pen-Col Foonburton-ET



7H017413 PEN-COL FOONBURTON-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

SHEEPSTER X GAMEDAY X LEGACY

H0840003242815738 Sfbnr: 94330 kodnr: 9-9303

99% RHA DMS: 345-234 aAa: 432 B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.24	Reslig
Styrka	Vek	0.04	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.29	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.49	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.72	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.34	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.26	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.25	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.14	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.10	Hög
Fram juver	Svagt	0.75	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.11	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.52	Brett
Juveligament	Svagt	-0.54	Starkt
Juver djup	Djup	-0.31	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.31	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.37	Tät
Spenlängd	Kort	0.26	Lång

KNACK

INDEXES

TPI	3479
NM	879
HHP\$	988
FE	307

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 82% Rel.

PTAM	882
PTAP	49
PTAP %	0.07
PTAF	117
PTAF %	0.30
CFP	166

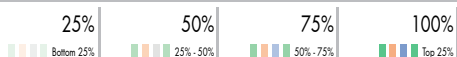
TYPE

0 Dtrs/0 Herds 81% Rel.

PTAT	1.96
UDC	1.67
FLC	1.07
BWC	0.19

MANAGEMENT

SCS	2.86	80%
MAST	2.4	73%
PL	2.5	77%
LIV	-2.1	73%
FI	0.2	77%
SCR	2.5	93%
SCE	1.3	93%
DCE	0.9	71%
MS	6.98	66%



Dom: AOT Deluxe Hi-Lighted-ET



AOT Beyond Figaro Knack-ET



250H017022 BEYOND FIGARO KNACK-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

FIGARO X DELUXE X BIGGELO

H0840003253835727 Sfbnr: 94184 kodnr: 9-9225

99% RHA DMS: 246-234 aAa: 243 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.97	Reslig
Styrka	Vek	0.58	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.78	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.53	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.23	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.28	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.40	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.23	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.68	Hög
Ben bedömning	Låg	1.27	Hög
Fram juver	Svagt	1.87	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.34	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.48	Brett
Juveligament	Svagt	0.50	Starkt
Juver djup	Djup	1.34	Grund
Spenplac fram	Vid	0.39	Tät
Spenplac bak	Vid	0.33	Tät
Spenlängd	Kort	-0.29	Lång

SALOON

INDEXES

TPI	3448
NM	1036
HHP\$	1073
FE	317

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	1027
PTAP	50
PTAP %	0.06
PTAF	123
PTAF %	0.29
CFP	173

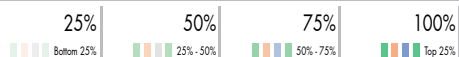
TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

PTAT	0.41
UDC	0.67
FLC	0.25
BWC	-0.92

MANAGEMENT

SCS	2.86	79%
MAST	2.5	72%
PL	5.1	77%
LIV	1.6	74%
FI	0.3	76%
SCR	-0.3	69%
SCE	1.6	63%
DCE	2.1	62%
MS	7.29	64%



MGD: Pen-Col Legacy Best-ET



Pen-Col Saloon-ET



250H017417 PEN-COL SALOON-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

SHEEPSTER X GAMEDAY X LEGACY

H0840003242815735 Stbnr: 94296 kodnr: 9-9273

99% RHA DMS: 345-135 aAa: 426 B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.53	Reslig
Styrka	Vek	-0.80	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-1.08	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.39	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.29	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.29	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.09	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.21	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.12	Hög
Ben bedömning	Låg	0.10	Hög
Fram juver	Svagt	0.79	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.04	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.10	Brett
Juveligament	Svagt	-0.78	Starkt
Juver djup	Djup	0.15	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.61	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.84	Tät
Spenlängd	Kort	0.16	Lång

SANDLOT

INDEXES

TPI	3426
NM	990
HHP\$	1028
FE	337

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	896
PTAP	54
PTAP %	0.09
PTAF	124
PTAF %	0.32
CFP	178

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

PTAT	0.84
UDC	0.53
FLC	0.50
BWC	-0.63

MANAGEMENT

SCS	2.79	78%
MAST	1.4	72%
PL	3.6	77%
LIV	-0.1	74%
FI	-0.6	76%
SCR	NA	%
SCE	1.6	63%
DCE	2.2	62%
MS	7.30	64%



Blumenfeld Sandlot



29H021989 BLUMENFELD SANDLOT-ET TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

SHEEPSTER X GAMEDAY X DECLAN

H0840003277639722 Stbnr: 94325 kodnr: 9-9288

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.21	Reslig
Styrka	Vek	-0.17	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.13	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.13	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.47	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.02	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.13	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.64	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.16	Hög
Ben bedömning	Låg	0.40	Hög
Fram juver	Svagt	0.58	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.74	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.31	Brett
Juveligament	Svagt	-0.42	Starkt
Juver djup	Djup	-0.26	Grund
Spenplac fram	Vid	0.32	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.15	Tät
Spenlängd	Kort	0.25	Lång

TUBMAN

INDEXES

TPI	3416
NM	826
HHP\$	960
FE	251

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	1792
PTAP	58
PTAP %	0.00
PTAF	88
PTAF %	0.05
CFP	146

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAT	1.53
UDC	1.06
FLC	0.86
BWC	0.52

MANAGEMENT

SCS	2.90	79%
MAST	2.1	72%
PL	4.5	77%
LIV	-1.0	74%
FI	1.4	76%
SCR	NA	%
SCE	1.7	63%
DCE	1.8	62%
MS	7.45	65%



Dam: Aurora Perfect 23719-ET



MGD: Aurora Rapid 21849-ET



250H017513 AURORA TUBMAN-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

SHEEPSTER X PERFECT X RAPID

H0840003259995104 Sfbnr: 94185 kodnr: 9-9226

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.65	Reslig
Styrka	Vek	0.71	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.39	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.97	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.66	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.32	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.42	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.56	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.48	Hög
Ben bedömning	Låg	0.84	Hög
Fram juver	Svagt	1.30	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.62	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.99	Brett
Juveligament	Svagt	-0.05	Starkt
Juver djup	Djup	0.43	Grund
Spenplac fram	Vid	0.28	Tät
Spenplac bak	Vid	0.03	Tät
Spenlängd	Kort	0.18	Lång

PUFFIN

INDEXES

TPI	3408
NM	814
HHP\$	921
FE	266

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

PTAM	865
PTAP	48
PTAP %	0.07
PTAF	104
PTAF %	0.25
CFP	152

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 78% Rel.

PTAT	1.74
UDC	1.31
FLC	0.66
BWC	0.41

MANAGEMENT

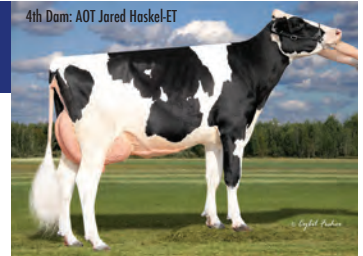
SCS	2.79	75%
MAST	2.4	71%
PL	3.0	74%
LIV	-1.4	72%
FI	0.6	74%
SCR	NA	%
SCE	1.1	63%
DCE	1.5	58%
MS	6.95	61%



MGD: AOT Deluxe Hi-Lighted-ET



4th Dam: AOT Jared Haskel-ET



250H017842 BEYOND SSI NITRUS PUFFIN-ET TR TP TM TC TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

NITRIOUS X POWERSTAR X DELUXE

H0840003284827290 Sfbnr: 94327 kodnr: 9-9300

99% RHA DMS: aAa: 351 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.41	Reslig
Styrka	Vek	0.99	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.03	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.58	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.53	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.54	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.85	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.45	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.46	Hög
Ben bedömning	Låg	0.81	Hög
Fram juver	Svagt	1.32	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.06	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.75	Brett
Juveligament	Svagt	0.19	Starkt
Juver djup	Djup	-0.08	Grund
Spenplac fram	Vid	0.34	Tät
Spenplac bak	Vid	0.35	Tät
Spenlängd	Kort	0.48	Lång

PALOMA

Bomaz Paloma



INDEXES

TPI	3394
NM	865
HHP\$	935
FE	282

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	907
PTAP	56
PTAP %	0.10
PTAF	105
PTAF %	0.25
CFP	161

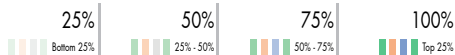
TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

PTAT	1.10
UDC	0.78
FLC	0.28
BWC	0.48

MANAGEMENT

SCS	2.99	79%
MAST	-0.4	72%
PL	3.5	77%
LIV	0.8	74%
FI	1.0	76%
SCR	NA	%
SCE	1.5	73%
DCE	2.1	70%
MS	6.99	64%



29H021810 BOMAZ PALOMA-ET

TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

SHEEPSTER X GAMEDAY X TOPSHOT

H0840003277651190 S1bnr: 94298 kodnr: 9-9286

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.30	Reslig
Styrka	Vek	0.55	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.11	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.42	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.19	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.61	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.47	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.51	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.36	Hög
Ben bedömning	Låg	0.28	Hög
Fram juver	Svagt	0.85	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.94	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.80	Brett
Juveligament	Svagt	0.00	Starkt
Juver djup	Djup	0.06	Grund
Spenplac fram	Vid	0.52	Tät
Spenplac bak	Vid	0.36	Tät
Spenlängd	Kort	-0.29	Lång

SAMSUN

INDEXES

TPI	3389
NM	944
HHP\$	989
FE	289

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	1048
PTAP	50
PTAP %	0.06
PTAF	106
PTAF %	0.23
CFP	156

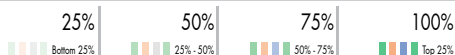
TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

PTAT	0.73
UDC	0.63
FLC	0.43
BWC	-0.49

MANAGEMENT

SCS	2.70	79%
MAST	2.5	72%
PL	4.9	77%
LIV	0.9	74%
FI	0.2	76%
SCR	NA	%
SCE	2.0	72%
DCE	2.7	70%
MS	6.77	65%



MG6D: Pine-Tree Era Achie 7593-ET



Blumenfeld Samsun



29H021849 BLUMENFELD SAMSUN-ET

TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

SHEEPSTER X GAMEDAY X PURSUIT

H0840003272185768 S1bnr: 94096 kodnr: 9-9210

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.15	Reslig
Styrka	Vek	-0.21	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.24	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.88	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.77	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.08	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.36	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.42	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.19	Hög
Ben bedömning	Låg	0.37	Hög
Fram juver	Svagt	0.64	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.52	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.99	Brett
Juveligament	Svagt	0.12	Starkt
Juver djup	Djup	0.32	Grund
Spenplac fram	Vid	0.69	Tät
Spenplac bak	Vid	0.57	Tät
Spenlängd	Kort	0.53	Lång

BELLIS

INDEXES

TPI	3366
NM	824
HHP\$	946
FE	240

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 80% Rel.

PTAM	819
PTAP	44
PTAP %	0.06
PTAF	88
PTAF %	0.20
CFP	132

TYPE

0 Dtrs/0 Herds 79% Rel.

PTAT	1.40
UDC	1.37
FLC	0.56
BWC	0.49

MANAGEMENT

SCS	2.69	76%
MAST	3.6	71%
PL	4.6	75%
LIV	-0.7	72%
FI	0.8	74%
SCR	NA	%
SCE	1.0	63%
DCE	1.2	58%
MS	6.87	62%



MGD: AOT Deluxe Hi-Lighted-ET



Beyond Hipster Bellis-ET



7H017858 BEYOND HIPSTER BELLIS-ET TR TP TM TC TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

HIPSTER X FIGARO X DELUXE

H0840003285492604 Sfbnr: 94328 kodnr: 9-9301

99% RHA DMS: 126-561 aAa: 321 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.24	Reslig
Styrka	Vek	0.68	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.59	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.96	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.73	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.68	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.46	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.65	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.13	Hög
Ben bedömning	Låg	0.80	Hög
Fram juver	Svagt	2.06	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.94	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.64	Brett
Juveligament	Svagt	0.02	Starkt
Juver djup	Djup	1.75	Grund
Spenplac fram	Vid	0.11	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.15	Tät
Spenlängd	Kort	0.17	Lång

BRUMBY

INDEXES

TPI	3345
NM	764
HHP\$	884
FE	215

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 79% Rel.

PTAM	553
PTAP	40
PTAP %	0.08
PTAF	88
PTAF %	0.24
CFP	128

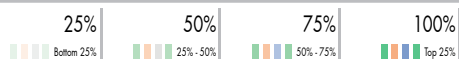
TYPE

0 Dtrs/0 Herds 79% Rel.

PTAT	1.23
UDC	1.29
FLC	0.76
BWC	0.59

MANAGEMENT

SCS	2.69	75%
MAST	2.2	72%
PL	4.0	75%
LIV	1.2	72%
FI	1.1	74%
SCR	NA	%
SCE	1.4	63%
DCE	1.7	58%
MS	6.72	62%



MG6D: Seagull-Bay An Alexandra-ET



250H017641 S-S-I RECHARGE BRUMBY-ET TR TP TM TC TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

RECHARGE X HOLYSMOKES X GRANADA

H0840003283492183 Sfbnr: 94297 kodnr: 9-9274

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: BE



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.65	Reslig
Styrka	Vek	0.48	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.22	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.14	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.86	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.27	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.42	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.69	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.65	Hög
Ben bedömning	Låg	0.90	Hög
Fram juver	Svagt	1.69	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.86	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.17	Brett
Juveligament	Svagt	0.16	Starkt
Juver djup	Djup	1.69	Grund
Spenplac fram	Vid	0.00	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.11	Tät
Spenlängd	Kort	0.42	Lång

RAINMAN

INDEXES

TPI	3341
NM	805
HHP\$	901
FE	255

PRODUCTION

0 Dtrs / 0 Herds 80% Rel.

PTAM	702
PTAP	48
PTAP %	0.09
PTAF	99
PTAF %	0.26
CFP	147

TYPE

0 Dtrs / 0 Herds 79% Rel.

PTAT	0.94
UDC	0.95
FLC	0.42
BWC	1.10

MANAGEMENT

SCS	2.82	76%
MAST	1.8	72%
PL	3.2	75%
LIV	0.0	72%
FI	0.6	75%
SCR	NA	%
SCE	1.5	63%
DCE	1.3	58%
MS	6.77	62%



MGD: OCD Coffee Rae 52467-ET



MGD: OCD Coffee Rae 52467-ET



250H017683 OCD RECHARGE RAINMAN-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

RECHARGE X ENGINEER X CAPTAIN

H0840003271294577 Sfbnr: 94293 kodnr: 9-9270

99% RHA DMS: aAa: 423 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.28	Reslig
Styrka	Vek	1.01	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.81	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.39	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.18	Brett
Korsluttning	Höga bårben	-0.57	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.29	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.45	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.82	Hög
Ben bedömning	Låg	0.71	Hög
Fram juver	Svagt	1.07	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.56	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.34	Brett
Juveligament	Svagt	0.73	Starkt
Juver djup	Djup	1.30	Grund
Spenplac fram	Vid	0.42	Tät
Spenplac bak	Vid	0.28	Tät
Spenlängd	Kort	1.04	Lång

SANBORN

INDEXES

TPI	3335
NM	748
HHP\$	945
FE	219

PRODUCTION

0 Dtrs / 0 Herds 82% Rel.

PTAM	887
PTAP	49
PTAP %	0.07
PTAF	87
PTAF %	0.19
CFP	136

TYPE

0 Dtrs / 0 Herds 81% Rel.

PTAT	1.12
UDC	0.67
FLC	0.32
BWC	1.53

MANAGEMENT

SCS	2.87	80%
MAST	2.4	74%
PL	4.2	77%
LIV	0.5	73%
FI	1.9	78%
SCR	0.0	94%
SCE	1.6	97%
DCE	1.7	70%
MS	7.28	66%



MGD: OCD Acura Soy 60075-ET



OCD Hayk Sanborn-ET



7H016966 OCD HAYK SANBORN-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

HAYK X GAMEDAY X ACURA

H0840003251665537 Sfbnr: 94295 kodnr: 9-9272

99% RHA DMS: 561-126 aAa: 342 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.28	Reslig
Styrka	Vek	1.37	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.82	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.22	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.68	Brett
Korsluttning	Höga bårben	0.44	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.07	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.40	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.61	Hög
Ben bedömning	Låg	0.61	Hög
Fram juver	Svagt	1.46	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.76	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.31	Brett
Juveligament	Svagt	-0.17	Starkt
Juver djup	Djup	0.70	Grund
Spenplac fram	Vid	0.88	Tät
Spenplac bak	Vid	0.46	Tät
Spenlängd	Kort	0.11	Lång

BURDETT

INDEXES

TPI	3331
NM	786
HHP\$	849
FE	249

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

PTAM	1090
PTAP	49
PTAP %	0.05
PTAF	90
PTAF %	0.16
CFP	139

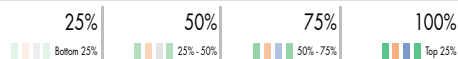
TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.

PTAT	1.57
UDC	1.27
FLC	0.10
BWC	0.73

MANAGEMENT

SCS	2.96	76%
MAST	1.3	72%
PL	3.5	75%
LIV	0.3	72%
FI	0.5	75%
SCR	NA	%
SCE	1.5	64%
DCE	1.5	59%
MS	7.28	62%



250H017791 AURORA SNDNCE BURDETT-ET TR TP TM TC TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

SUNDANCE X PERFECT X RAPID

H0840003271807619 Sifnr: 94329 kodnr: 9-9302

99% RHA DMS: aAa: 324 B-Casein: A1A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.92	Reslig
Styrka	Vek	0.98	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.99	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.18	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.70	Brett
Korsluttning	Höga bärben	1.18	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.56	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.58	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.33	Hög
Ben bedömning	Låg	0.21	Hög
Fram juver	Svagt	0.92	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.00	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.48	Brett
Juveligament	Svagt	1.04	Starkt
Juver djup	Djup	0.29	Grund
Spenplac fram	Vid	0.83	Tät
Spenplac bak	Vid	1.03	Tät
Spenlängd	Kort	0.29	Lång

BOATSHOW

INDEXES

TPI	3326
NM	772
HHP\$	928
FE	270

PRODUCTION

31 Dtrs/ 10 Herds 88% Rel.

PTAM	482
PTAP	43
PTAP %	0.10
PTAF	113
PTAF %	0.35
CFP	156

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAT	1.21
UDC	1.02
FLC	0.26
BWC	0.83

MANAGEMENT

SCS	2.65	83%
MAST	1.9	75%
PL	2.5	81%
LIV	-2.1	77%
FI	-0.4	81%
SCR	1.7	95%
SCE	1.7	97%
DCE	3.0	72%
MS	7.20	73%



250H016420 BOMAZ BOATSHOW-ET TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

GAMEDAY X JURASSIC X YODA

H0840003242205968 Sifnr: 93800 kodnr: 9-8791

99% RHA DMS: 561-135 aAa: 342 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.80	Reslig
Styrka	Vek	0.83	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.57	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.30	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.83	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.86	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.21	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.13	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.70	Hög
Ben bedömning	Låg	0.47	Hög
Fram juver	Svagt	1.62	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.29	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.46	Brett
Juveligament	Svagt	-0.05	Starkt
Juver djup	Djup	1.07	Grund
Spenplac fram	Vid	0.04	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.12	Tät
Spenlängd	Kort	0.00	Lång

SHERBET

INDEXES

TPI	3311
NM	777
HHP\$	871
FE	214

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 82% Rel.

PTAM	1188
PTAP	50
PTAP %	0.04
PTAF	70
PTAF %	0.08
CFP	120

TYPE

0 Dtrs/0 Herds 81% Rel.

PTAT	0.98
UDC	0.66
FLC	0.89
BWC	-0.08

MANAGEMENT

SCS	2.85	79%
MAST	2.0	72%
PL	4.6	77%
LIV	1.5	73%
FI	2.0	76%
SCR	-0.7	75%
SCE	1.5	76%
DCE	2.0	70%
MS	6.94	65%



MGO: OCD Acura Soy 60075-ET

7H017535 OCD EASTON SHERBET-ET

TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

EASTON X TROOPER X ACURA

H0840003271356515 Stbnr: 94289 kodnr: 9-9260

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.38	Reslig
Styrka	Vek	0.15	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.03	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.38	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.50	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.43	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.25	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.92	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.39	Hög
Ben bedömning	Låg	0.72	Hög
Fram juver	Svagt	0.81	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.84	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.81	Brett
Juveligament	Svagt	-0.06	Starkt
Juver djup	Djup	0.14	Grund
Spenplac fram	Vid	0.09	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.01	Tät
Spenlängd	Kort	0.14	Lång

HABULOUS-P

INDEXES

TPI	3307
NM	609
HHP\$	758
FE	172

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 82% Rel.

PTAM	842
PTAP	50
PTAP %	0.08
PTAF	64
PTAF %	0.11
CFP	114

TYPE

0 Dtrs/0 Herds 81% Rel.

PTAT	2.22
UDC	1.23
FLC	1.22
BWC	1.33

MANAGEMENT

SCS	2.72	79%
MAST	3.3	74%
PL	4.3	77%
LIV	-1.0	73%
FI	0.7	78%
SCR	-1.0	86%
SCE	1.7	95%
DCE	1.1	70%
MS	7.35	65%



Dam: Siemers Par Hanan 36296-ET



MGO: Siemers Lstr Hanan 33317-ET

250H017298 SIEMERS HABULOUS-P-ET

TR PC TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

HAYK X PERFECT X LUSTER-P

H0840003257574731 Stbnr: 94294 kodnr: 9-9271

99% RHA DMS: 561-135 aAa: 321 B-Casein: A2A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	2.33	Reslig
Styrka	Vek	1.47	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.69	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.89	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	2.85	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.13	Sluttande
Ben sidan	Rak	2.03	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.80	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.80	Hög
Ben bedömning	Låg	1.73	Hög
Fram juver	Svagt	1.78	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.04	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.45	Brett
Juveligament	Svagt	1.37	Starkt
Juver djup	Djup	0.91	Grund
Spenplac fram	Vid	0.85	Tät
Spenplac bak	Vid	1.30	Tät
Spenlängd	Kort	1.12	Lång

GRENADÉ

INDEXES

TPI	3286
NM	753
HHP\$	926
FE	248

PRODUCTION

0 Dtrs / 0 Herds 81% Rel.

PTAM	417
PTAP	48
PTAP %	0.13
PTAF	96
PTAF %	0.29
CFP	144

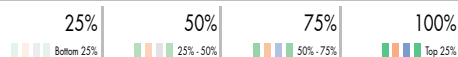
TYPE

0 Dtrs / 0 Herds 77% Rel.

PTAT	0.53
UDC	0.14
FLC	0.60
BWC	0.57

MANAGEMENT

SCS	2.74	77%
MAST	3.5	72%
PL	2.9	76%
LIV	0.2	72%
FI	0.8	75%
SCR	NA	%
SCE	1.5	84%
DCE	1.3	71%
MS	7.21	61%



29H021135 DENOVO 2404 GRENADÉ-ET TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

GOLDEN X TAOS X HUEY

H0840003234522404 Sfbnr: 94031 kodnr: 9-9119

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.80	Reslig
Styrka	Vek	0.50	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.17	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.10	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.35	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.16	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.05	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.66	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.68	Hög
Ben bedömning	Låg	0.75	Hög
Fram juver	Svagt	0.24	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.52	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.39	Brett
Juveligament	Svagt	0.02	Starkt
Juver djup	Djup	0.80	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.76	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.77	Tät
Spenlängd	Kort	0.80	Lång

JACKPOT

INDEXES

TPI	3277
NM	863
HHP\$	825
FE	300

PRODUCTION

0 Dtrs / 0 Herds 81% Rel.

PTAM	1955
PTAP	60
PTAP %	-0.01
PTAF	100
PTAF %	0.07
CFP	160

TYPE

0 Dtrs / 0 Herds 79% Rel.

PTAT	0.62
UDC	0.52
FLC	-0.44
BWC	-0.51

MANAGEMENT

SCS	3.01	76%
MAST	0.4	72%
PL	2.4	75%
LIV	-2.0	73%
FI	-0.3	75%
SCR	NA	%
SCE	0.9	72%
DCE	1.1	71%
MS	7.61	62%



29H021599 T-SPRUCE DNVO JACKPOT-ET TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

MONTANA X TAOS X LIONEL

H0840003258179063 Sfbnr: 94180 kodnr: 9-9215

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.22	Reslig
Styrka	Vek	-0.28	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.04	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.32	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.22	Brett
Korsluttning	Höga bärben	0.19	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.51	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.53	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.16	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.05	Hög
Fram juver	Svagt	0.80	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.96	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.94	Brett
Juveligament	Svagt	0.35	Starkt
Juver djup	Djup	0.62	Grund
Spenplac fram	Vid	0.41	Tät
Spenplac bak	Vid	0.54	Tät
Spenlängd	Kort	0.64	Lång

HADZUKI

T-Spruce Hayk Hadzuki-ET



INDEXES

TPI	3267
NM	717
HHP\$	849
FE	230

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 82% Rel.

PTAM	599
PTAP	51
PTAP %	0.12
PTAF	85
PTAF %	0.22
CFP	136

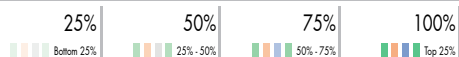
TYPE

0 Dtrs/0 Herds 81% Rel.

PTAT	0.99
UDC	0.23
FLC	0.12
BWC	1.15

MANAGEMENT

SCS	2.81	79%
MAST	1.0	74%
PL	3.7	77%
LIV	0.4	73%
FI	1.4	78%
SCR	0.0	75%
SCE	1.8	91%
DCE	2.0	70%
MS	6.93	66%



7H017106 T-SPRUCE HAYK HADZUKI-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

HAYK X CRUSHER X LIONEL

H0840003260815041 Stbnr: 94186 kodnr: 9-9259

99% RHA DMS: 234-345 aAa: 342 B-Casein: A1A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.18	Reslig
Styrka	Vek	1.28	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.98	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.55	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.81	Brett
Korsluttning	Höga bårben	-0.46	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.46	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.07	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.09	Hög
Ben bedömning	Låg	0.51	Hög
Fram juver	Svagt	0.73	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.97	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.32	Brett
Juveligament	Svagt	-0.39	Starkt
Juver djup	Djup	-0.11	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.50	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.57	Tät
Spenlängd	Kort	1.05	Lång

BEAUFORT

T-Spruce Beaufort



INDEXES

TPI	3266
NM	709
HHP\$	723
FE	270

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 82% Rel.

PTAM	1297
PTAP	52
PTAP %	0.03
PTAF	85
PTAF %	0.11
CFP	137

TYPE

0 Dtrs/0 Herds 81% Rel.

PTAT	1.42
UDC	0.98
FLC	0.64
BWC	-0.90

MANAGEMENT

SCS	2.99	78%
MAST	0.5	72%
PL	1.6	76%
LIV	-4.0	73%
FI	0.9	75%
SCR	0.6	59%
SCE	1.2	63%
DCE	1.4	62%
MS	7.01	65%



29H021971 T-SPRUCE BEAUFORT-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

EASTON X PERFECT X LIONEL

H0840003265763552 Stbnr: 94299 kodnr: 9-9287

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.02	Reslig
Styrka	Vek	-0.10	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.49	Djup
Mjölktyp	Täta revben	2.23	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.07	Brett
Korsluttning	Höga bårben	-0.56	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.78	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.57	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.25	Hög
Ben bedömning	Låg	0.68	Hög
Fram juver	Svagt	0.49	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.67	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.84	Brett
Juveligament	Svagt	0.88	Starkt
Juver djup	Djup	-0.41	Grund
Spenplac fram	Vid	0.45	Tät
Spenplac bak	Vid	1.08	Tät
Spenlängd	Kort	0.37	Lång

Genomtestade Tjurar

	Identification	Namn	Härstamning	Stbnr	Kodnr	TPI	NMS	Mjolk	Säkerhet%	Protein	Fett	P + F
WWS	007H017413	FOONBURTON	Sheepster x Gameday x Legacy	94330	9-9303	3497	1063	1355	82	59	140	199
WWS	250H017022	KNACK	Figaro x Deluxe x Biggelo	94184	9-9225	3479	879	882	82	49	117	166
WWS	250H017417	SALOON	Sheepster x Gameday x Legacy	94296	9-9273	3448	1036	1027	82	50	123	173
ABS	029H021989	SANDLOT	Sheepster x Gameday x Declan	94325	9-9288	3426	990	896	82	54	124	178
WWS	250H017513	TUBMAN	Sheepster x Perfect x Rapid	94185	9-9226	3416	826	1792	82	58	88	146
WWS	250H017842	PUFFIN	Nitrous x Powerstar x Deluxe	94327	9-9300	3408	814	865	80	48	104	152
ABS	029H021810	PALOMA	Sheepster x Gameday x Topshot	94298	9-9286	3394	865	907	82	56	105	161
ABS	029H021849	SAMSUN	Sheepster x Gameday x Pursuit	94096	9-9210	3389	944	1048	82	50	106	156
WWS	007H017858	BELLIS	Hipster x Figaro x Deluxe	94328	9-9301	3366	824	819	80	44	88	132
WWS	250H017641	BRUMBY	Recharge x Holysmokes x Granada	94297	9-9274	3345	764	553	79	40	88	128
WWS	250H017683	RAINMAN	Recharge x Engineer x Captain	94293	9-9270	3341	805	702	80	48	99	147
WWS	007H016966	SANBORN	Hayk x Gameday x Acura	94295	9-9272	3335	748	887	82	49	87	136
WWS	250H017791	BURDETT	Sundance x Perfect x Rapid	94329	9-9302	3331	786	1090	80	49	90	139
WWS	250H016420	BOATSHOW	Gameday x Jurassic x Yoda	93800	9-8791	3326	772	482	88	43	113	156
WWS	007H017535	SHERBET	Easton x Trooper x Acura	94289	9-9260	3311	777	1188	82	50	70	120
WWS	250H017298	HABULOUS-P	Hayk x Perfect x Luster-P	94294	9-9271	3307	609	842	82	50	64	114
ABS	029H021135	GRENADE	Golden x Taos x Huey	94031	9-9119	3286	753	417	81	48	96	144
ABS	029H021599	JACKPOT	Montana x Taos x Lionel	94180	9-9215	3277	863	1955	81	60	100	160
WWS	007H017106	HADZUKI	Hayk x Crusher x Lionel	94186	9-9259	3267	717	599	82	51	85	136
ABS	029H021971	BEAUFORT	Easton x Perfect x Lionel	94299	9-9287	3266	709	1297	82	52	85	137
WWS	007H017700	HINGE	Blakely x Perfect x Doc	94099	9-9219	3242	438	1062	81	42	59	101
WWS	007H017256	FRONTENAC	Kahn x Perfect x Rapid	94093	9-9172	3216	692	1595	82	56	93	149
ABS	029H021248	CALEB-P	Maxwell-P x Acura x Crimson	94179	9-9214	3199	815	994	82	41	92	133
ABS	029H021537	ZEST	Leeds x Gameday x Renegade	94091	9-9163	3198	827	1001	81	47	89	136
ABS	094H021331	SWAGGER	Venom x Taos x Huey	94092	9-9171	3196	689	1298	82	56	93	149
WWS	250H017215	HADER	Hayk x Perfect x Doc	94030	9-9117	3193	397	855	82	51	56	107
WWS	250H017108	ESKIL	Esquire x Conway x Lionel	94097	9-9175	3171	596	1067	82	42	61	103
WWS	014H017555	PARBIE-RED	Redlea x Gameday x Mark	94291	9-9265	3089	482	1133	82	45	68	113
ABS	094H021601	DANSBY-P	Kahn x Conway x Eisaku	94290	9-9261	3078	538	593	81	39	78	117

Avkommebedömda Tjurar

	Identification	Namn	Härstamning	Stbnr	Kodnr	TPI	NMS	Mjolk	Säkerhet%	Protein	Fett	P + F
WWS	007H016276	SHEEPSTER	Trooper x Acura x Resolve	94331		3572	1111	1521	98	70	133	203
WWS	014H015179	TROOPER	Renegade x Legendary x Josuper	93926	9-9096	3334	677	702	99	53	90	143
WWS	007H015465	CRUSHER	Calvary x Legendary x Josuper	94098	9-9176	3250	950	267	99	42	118	160
WWS	250H016074	FIGARO	Perfect x Coffee x Burley	93918	9-9026	3200	554	1040	99	39	74	113
WWS	007H014985	RUPERT	Renegade x Matters x Stoic	94039	9-9139	3181	657	1679	99	56	83	139
WWS	250H015955	HARMONY	Perfect x Positive x Delta	93518	9-8654	3177	464	1563	99	53	72	125
WWS	007H014454	LIONEL	Frazzled x Montross x Supersire	93513	9-8604	3151	791	2672	99	68	112	180
WWS	007H016105	COMBINATION	Logistics x Doc x Montross	93759	9-8778	2923	118	869	92	31	38	69

Kötttras Tjurar

Kötttras	Identification	Namn	Härstamning	Stbnr	Kodnr	Pris kr	Pris sexad
Angus	829XB1092	NATIVE	3 x Angus		7-1984	150	
Angus	029AN1922	DIMENSION	Sitz Dimension 8607 x 4 Point 8 of Ironwood	700165	7-1678	110	
Angus	029AN2236	CASH4LIFE	Roseda Powerball23 x Thomas Lass 43221	701117	7-2150	100	390
Charolais	009CH8317	FREE RIDE	HC Free Range 4201 x HC Leader 8205			180	
Hereford	829HP0957	TOLKEN	Moeskaer Ultra 1582 x Barwise 1 Wellington	701118	7-2151	100	
Hereford	829HP0968	REDFORD	Injemira Robert Redford Q287 x Wirruna Peace P198			110	
Limosin	029LM0108	ONSLOW	Mereside Leo x Kaprica Eravelle	700490	7-1831	150	390
Simmental	029SM0500	KINGSTON	Drumagardner Hughes X Bel Capercailie	700847	7-1991	110	
Sim-Angus	829XB0145	NUERA0145	Profit Driven x Nuera T14 Nana	701038	7-2110	150	
Wagyu	009KB3	HARU	Nakagishhiro x Studhiko417	700970	7-2066	210	

MNINGEN 2025

Protein%	Fett%	TYP	Säkerhet%	JUVER	BEN	Kalvning F	Celltal	PL	FI	Mj hastig	SCR	Pris kr	Pris sexad	Svensk ID
0.05	0.30	0.68	81	0.65	0.04	1.4	2.92	3.8	-0.2	7.19	1.4	370	610	800017-1496-23
0.07	0.30	1.96	81	1.67	1.07	1.3	2.86	2.5	0.2	6.98	2.5	390	620	800017-1092-23
0.06	0.29	0.41	81	0.67	0.25	1.6	2.86	5.1	0.3	7.29	-0.3	290	550	800017-1279-23
0.09	0.32	0.84	81	0.53	0.50	1.6	2.79	3.6	-0.6	7.30		290		800017-1355-23
0.00	0.05	1.53	82	1.06	0.86	1.7	2.90	4.5	1.4	7.45		350	590	800017-1093-23
0.07	0.25	1.74	78	1.31	0.66	1.1	2.79	3.0	0.6	6.95		280	560	800017-1491-24
0.10	0.25	1.10	81	0.78	0.28	1.5	2.99	3.5	1.0	6.99		290	570	800017-1343-23
0.06	0.23	0.73	81	0.63	0.43	2.0	2.70	4.9	0.2	6.77			570	800017-948-23
0.06	0.20	1.40	79	1.37	0.56	1.0	2.69	4.6	0.8	6.87		250	520	800017-1493-24
0.08	0.24	1.23	79	1.29	0.76	1.4	2.69	4.0	1.1	6.72		250	510	800017-1280-24
0.09	0.26	0.94	79	0.95	0.42	1.5	2.82	3.2	0.6	6.77		270	530	800017-1272-24
0.07	0.19	1.12	81	0.67	0.32	1.6	2.87	4.2	1.9	7.28	0.0	270	540	800017-1277-23
0.05	0.16	1.57	79	1.27	0.10	1.5	2.96	3.5	0.5	7.28		250	520	800017-1495-24
0.10	0.35	1.21	82	1.02	0.26	1.7	2.65	2.5	-0.4	7.20	1.7	250	510	800017-0033-21
0.04	0.08	0.98	81	0.66	0.89	1.5	2.85	4.6	2.0	6.94	-0.7	250	490	800017-1203-23
0.08	0.11	2.22	81	1.23	1.22	1.7	2.72	4.3	0.7	7.35	-1.0	250	540	800017-1277-23
0.13	0.29	0.53	77	0.14	0.60	1.5	2.74	2.9	0.8	7.21		250		800017-545-22
-0.01	0.07	0.62	79	0.52	-0.44	0.9	3.01	2.4	-0.3	7.61		290	550	800017-1039-23
0.12	0.22	0.99	81	0.23	0.12	1.8	2.81	3.7	1.4	6.93	0.0	220	470	800017-1202-22
0.03	0.11	1.42	81	0.98	0.64	1.2	2.99	1.6	0.9	7.01	0.6	250	460	800017-1344-23
0.03	0.06	2.80	80	2.28	1.62	1.5	2.92	2.2	0.6	6.72	0.7	320	570	800017-1075-23
0.01	0.10	1.00	81	0.52	-0.38	1.5	2.73	2.8	-1.0	7.30	-0.9	240		800017-844-23
0.03	0.19	0.34	79	0.11	0.29	1.5	2.91	3.6	0.2	7.09	-4.5	270	480	800017-1037-22
0.05	0.17	0.15	79	0.20	-0.51	1.5	2.82	3.4	0.3	7.15		170		800017-787-23
0.05	0.14	0.26	79	-0.31	0.53	1.7	2.95	2.1	0.3	7.25	0.3	270		800017-840-22
0.08	0.08	2.27	81	1.47	0.98	1.7	2.73	2.6	-0.1	6.83	0.5	250	480	80017-543-22
0.03	0.06	1.94	81	1.49	1.04	1.4	2.89	3.2	-0.5	7.39	-1.1	240	450	800017-854-22
0.03	0.08	1.38	80	1.29	0.41	1.6	3.11	1.2	0.0	7.10		240	450	800017-1217-23
0.07	0.20	1.07	81	0.53	-0.17	2.0	2.91	2.0	-0.3	7.08	-0.9		390	800017-1213-23

Protein%	Fett%	TYP	Säkerhet%	JUVER	BEN	Kalvning F	Celltal	PL	FI	Mj hastig	SCR	Pris kr	Pris sexad	Svensk ID
0.07	0.25	0.69	96	0.18	0.42	2.1	2.90	5.5	0.6	7.03	-0.3	690	1100	
0.11	0.23	1.00	98	0.57	1.63	1.7	3.02	3.9	2.0	7.26	-0.9	280	560	800017-472-19
0.13	0.40	0.14	97	-0.62	-0.38	1.5	2.89	4.4	-0.1	6.73	1.9	210	460	800007-9954-19
0.02	0.11	1.73	96	1.49	1.61	1.4	2.97	2.1	0.0	7.03	0.5	220	440	800017-229-21
0.00	0.05	0.35	94	-0.08	0.62	1.9	3.02	2.5	1.1	7.54	-2.1	210	420	800017-647-19
0.01	0.03	2.21	96	1.73	1.14	2.0	2.99	0.0	-1.1	7.25	1.4	210	420	800007-9326-20
-0.07	0.01	0.02	99	-0.13	-0.99	1.7	2.90	0.5	-2.5	7.12	-0.6	250	480	800007-9188-17
0.01	0.01	2.43	88	1.69	1.97	3.2	3.30	-0.7	0.5	7.62	1.5	150	360	800007-9951-21

TERMS OF USE. WARRANTY STATEMENT

Products sold by World Wide Sires, Ltd. or its affiliates to a buyer shall not be used other than as authorized by the terms and conditions in the sales invoice. Each conventionally processed semen straw (not sex sorted) shall be used only for insemination of a female bovine. ALL OTHER USES OF BOVINE SEMEN FROM WORLD WIDE SIRES, LTD. AND ITS AFFILIATES ARE STRICTLY PROHIBITED WITHOUT THE PRIOR WRITTEN CONSENT OF SELECT Sires INC. INCLUDING (WITHOUT LIMITATION) GENOTYPING, SEQUENCING, CLONING, GENETIC ANALYSIS, GENETIC MANIPULATION OR FOR RESEARCH. World Wide Sires, Ltd., Select Sires Inc., its member cooperatives, its agents or employees cannot and do not guarantee the conception rate, gender, quality or productivity to be obtained in connection with the use of its products or recommended techniques. It makes no warranties of any kind whatsoever, expressed or implied, which extend beyond the description of its products and hereby disclaims all warranties of merchantability and fitness for a particular purpose. In the unlikely event that any of our products shall be proven to be defective, damages resulting from their use shall exclude consequential damages and be limited to the purchase price of the product.

Limitations and Conditions of Sale: gender SELECTED semen shall be used only for the single insemination of one female bovine during natural ovulation with the intent to produce single offspring unless specifically approved on an individual customer basis by Sexing Technologies in writing. As a condition of purchasing gender SELECTED semen, the purchaser agrees that gender SELECTED semen will not be reverse sorted or re-sorted unless specifically permitted, in advance, on a case-by-case basis by Select Sires in writing. Select Sires intends to monitor the use of the gender SELECTED semen and vigorously enforce these restrictions on use. Please see <http://www.selectsires.com/designations/gendersselected.html> for additional details.



"GForce", "GForce+", "Showcase", and "Elite Sexed Fertility" are trademarks of Select Sires Inc.



"FeedPRO", "RobotPRO", "MasitisResistantPRO", "FertilityPRO" and "GrazingPRO" are registered trademarks of Select Sires Inc.



All *gender* SELECTED semen is processed using Ultraplus™ technology. Ultraplus is a trademark of STGen LLC. "gender" SELECTED semen is a trademark of Select Sires Inc.



©Select Sires, ©Generations and ©Accelerated Genetics are registered trademarks of Select Sires Inc.

©Hard Health Profit Dollars (HHPS®) is a trademark of Select Sires Inc.

©Total Performance Index is a registered trademark of Holstein Association USA.

HINGE

INDEXES

TPI	3242
NM	438
HHP\$	554
FE	139

PRODUCTION

0 Dtrs / 0 Herds 81% Rel.

PTAM	1062
PTAP	42
PTAP %	0.03
PTAF	59
PTAF %	0.06
CFP	101

TYPE

0 Dtrs / 0 Herds 80% Rel.

PTAT	2.80
UDC	2.28
FLC	1.62
BWC	1.00

MANAGEMENT

SCS	2.92	77%
MAST	1.2	72%
PL	2.2	76%
LIV	-2.4	73%
FI	0.6	75%
SCR	0.7	84%
SCE	1.5	71%
DCE	1.5	71%
MS	6.72	63%



Dam: Duckett Perfect Holly-ET



MGD: S-S-I Doc Have Not 8784-ET



7H017700 HAVEITALL BLAKELY HINGE-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

BLAKELY X PERFECT X DOC

H0840003277629429 Sifnr: 94099 kodnr: 9-9219

99% RHA DMS: 123-135 aAa: 234 B-Casein: A2A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	2.39	Reslig
Styrka	Vek	1.15	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.35	Djup
Mjölktyp	Täta revben	2.02	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	2.73	Brett
Korsluttning	Höga bårben	0.96	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.02	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	2.24	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.79	Hög
Ben bedömning	Låg	1.95	Hög
Fram juver	Svagt	2.57	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	3.25	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	3.36	Brett
Juveligament	Svagt	1.83	Starkt
Juver djup	Djup	2.05	Grund
Spenplac fram	Vid	1.23	Tät
Spenplac bak	Vid	1.68	Tät
Spenlängd	Kort	0.09	Lång

FRONTENAC

INDEXES

TPI	3216
NM	692
HHP\$	859
FE	247

PRODUCTION

0 Dtrs / 0 Herds 82% Rel.

PTAM	1595
PTAP	56
PTAP %	0.01
PTAF	93
PTAF %	0.10
CFP	149

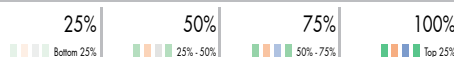
TYPE

0 Dtrs / 0 Herds 81% Rel.

PTAT	1.00
UDC	0.52
FLC	-0.38
BWC	1.10

MANAGEMENT

SCS	2.73	80%
MAST	2.3	73%
PL	2.8	77%
LIV	-2.5	74%
FI	-1.0	78%
SCR	-0.9	65%
SCE	1.5	85%
DCE	2.2	70%
MS	7.30	65%



Dam: Aurora Perfect 23719-ET



Aurora Frontenac-ET



7H017256 AURORA FRONTENAC-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

KAHN X PERFECT X RAPID

H0840003259995043 Sifnr: 94093 kodnr: 9-9172

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.46	Reslig
Styrka	Vek	1.19	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.75	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.49	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.83	Brett
Korsluttning	Höga bårben	0.14	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.83	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.13	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.28	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.30	Hög
Fram juver	Svagt	0.31	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.02	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.65	Brett
Juveligament	Svagt	0.16	Starkt
Juver djup	Djup	-0.55	Grund
Spenplac fram	Vid	0.34	Tät
Spenplac bak	Vid	0.74	Tät
Spenlängd	Kort	0.13	Lång

CALEB-P

INDEXES

TPI	3199
NM	815
HHP\$	799
FE	248

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	994
PTAP	41
PTAP %	0.03
PTAF	92
PTAF %	0.19
CFP	133

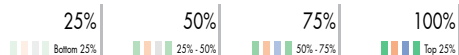
TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.

PTAT	0.34
UDC	0.11
FLC	0.29
BWC	-0.43

MANAGEMENT

SCS	2.91	78%
MAST	0.6	72%
PL	3.6	76%
LIV	2.6	72%
FI	0.2	75%
SCR	-4.5	66%
SCE	1.5	90%
DCE	1.8	70%
MS	7.09	63%



29H021248 DENOVO 2476 CALEB-P-ET TR PCTCTYTVTLTDTEHH1THH2THH3THH4THH5THH6T

MAXWELL-P X ACURA X CRIMSON

H0840003234522476 Sfbnr: 94179 kodnr: 9-9214

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: AE



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	-0.21	Reslig
Styrka	Vek	-0.21	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.40	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.30	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	-0.33	Brett
Korsluttning	Höga bårben	0.50	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.16	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.44	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.21	Hög
Ben bedömning	Låg	0.19	Hög
Fram juver	Svagt	0.16	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.28	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.29	Brett
Juveligament	Svagt	-0.77	Starkt
Juver djup	Djup	0.23	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.65	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.68	Tät
Spenlängd	Kort	0.32	Lång

ZEST

INDEXES

TPI	3198
NM	827
HHP\$	812
FE	269

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

PTAM	1001
PTAP	47
PTAP %	0.05
PTAF	89
PTAF %	0.17
CFP	136

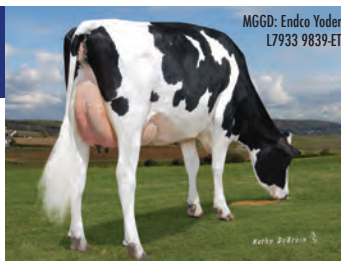
TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 79% Rel.

PTAT	0.15
UDC	0.20
FLC	-0.51
BWC	-1.15

MANAGEMENT

SCS	2.82	77%
MAST	1.1	72%
PL	3.4	76%
LIV	-0.2	73%
FI	0.3	75%
SCR	NA	%
SCE	1.5	63%
DCE	1.9	62%
MS	7.15	62%



29H021537 T-SPRUCE DENOVO ZEST-ET TR TPCTCTYTVTLTDTEHH1THH2THH3THH4THH5THH6T

LEEDS X GAMEDAY X RENEGADE

H0840003258178807 Sfbnr: 94091 kodnr: 9-9163

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.23	Reslig
Styrka	Vek	-0.69	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.27	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.31	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	-0.43	Brett
Korsluttning	Höga bårben	0.81	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.37	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.72	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.54	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.27	Hög
Fram juver	Svagt	-0.11	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.71	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.62	Brett
Juveligament	Svagt	-0.45	Starkt
Juver djup	Djup	0.19	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.48	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.56	Tät
Spenlängd	Kort	0.06	Lång

SWAGGER

Denovo 2485 Swagger-ET



INDEXES

TPI	3196
NM	689
HHP\$	814
FE	246

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 82% Rel.

PTAM	1298
PTAP	56
PTAP %	0.05
PTAF	93
PTAF %	0.14
CFP	149

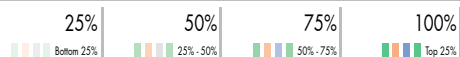
TYPE

0 Dtrs/0 Herds 79% Rel.

PTAT	0.26
UDC	-0.31
FLC	0.53
BWC	0.75

MANAGEMENT

SCS	2.95	78%
MAST	0.0	72%
PL	2.1	76%
LIV	-0.8	73%
FI	0.3	75%
SCR	0.3	78%
SCE	1.7	89%
DCE	1.5	71%
MS	7.25	62%



29H021331 DENOVO 2485 SWAGGER-ET TR TP TCTY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

VENOM X TAOS X HUEY

H0840003234522485 Sfbnr: 94092 kodnr: 9-9171

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A1A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.39	Reslig
Styrka	Vek	0.83	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.80	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.73	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.63	Brett
Korsluttning	Höga bårben	1.22	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.26	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.86	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.61	Hög
Ben bedömning	Låg	0.78	Hög
Fram juver	Svagt	-0.20	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	-0.22	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.32	Brett
Juveligament	Svagt	-0.02	Starkt
Juver djup	Djup	0.13	Grund
Spenplac fram	Vid	0.22	Tät
Spenplac bak	Vid	0.03	Tät
Spenlängd	Kort	0.02	Lång

HADER

INDEXES

TPI	3193
NM	397
HHP\$	683
FE	130

PRODUCTION

0 Dtrs/0 Herds 82% Rel.

PTAM	855
PTAP	51
PTAP %	0.08
PTAF	56
PTAF %	0.08
CFP	107

TYPE

0 Dtrs/0 Herds 81% Rel.

PTAT	2.27
UDC	1.47
FLC	0.98
BWC	2.31

MANAGEMENT

SCS	2.73	79%
MAST	3.6	74%
PL	2.6	77%
LIV	-2.6	73%
FI	-0.1	78%
SCR	0.5	91%
SCE	1.7	86%
DCE	1.5	70%
MS	6.83	66%



Dam: Duckett Perfect Hallie-ET



MGD: S-S-I Doc Have Not 8784-ET



250H017215 DUCKETT HAYK HADER-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

HAYK X PERFECT X DOC

H0840003260843021 Sfbnr: 94030 kodnr: 9-9117

99% RHA DMS: 123 aAa: 234 B-Casein: A1A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	2.77	Reslig
Styrka	Vek	2.08	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.63	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.69	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	2.20	Brett
Korsluttning	Höga bårben	0.69	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.06	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.51	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.55	Hög
Ben bedömning	Låg	1.48	Hög
Fram juver	Svagt	2.71	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.50	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.22	Brett
Juveligament	Svagt	0.41	Starkt
Juver djup	Djup	2.21	Grund
Spenplac fram	Vid	0.06	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.01	Tät
Spenlängd	Kort	1.52	Lång

ESKIL

INDEXES

TPI	3171
NM	596
HHP\$	676
FE	184

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	1067
PTAP	42
PTAP %	0.03
PTAF	61
PTAF %	0.06
CFP	103

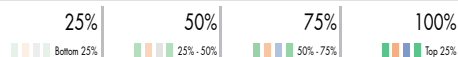
TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 81% Rel.

PTAT	1.94
UDC	1.49
FLC	1.04
BWC	0.53

MANAGEMENT

SCS	2.89	79%
MAST	1.7	73%
PL	3.2	77%
LIV	0.2	73%
FI	-0.5	77%
SCR	-1.1	92%
SCE	1.4	92%
DCE	1.9	70%
MS	7.39	66%



MGGD: Endco Yoder L7933 9839-ET



T-Spruce Esquire Eskil-ET



250H017108 T-SPRUCE ESQUIRE ESKIL-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

ESQUIRE X CONWAY X LIONEL

H0840003260815034 Sfbnr: 94097 kodnr: 9-9175

99% RHA DMS: 234-123 aAa: 354 B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.38	Reslig
Styrka	Vek	1.02	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.16	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.69	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.08	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.39	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.34	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.38	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.62	Hög
Ben bedömning	Låg	1.31	Hög
Fram juver	Svagt	2.05	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.83	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.07	Brett
Juveligament	Svagt	0.89	Starkt
Juver djup	Djup	1.54	Grund
Spenplac fram	Vid	0.56	Tät
Spenplac bak	Vid	0.54	Tät
Spenlängd	Kort	-0.21	Lång

PARBIE-RED

INDEXES

TPI	3089
NM	482
HHP\$	567
FE	189

PRODUCTION

0 Dtrs/ 0 Herds 82% Rel.

PTAM	1133
PTAP	45
PTAP %	0.03
PTAF	68
PTAF %	0.08
CFP	113

TYPE

0 Dtrs/ 0 Herds 80% Rel.

PTAT	1.38
UDC	1.29
FLC	0.41
BWC	0.37

MANAGEMENT

SCS	3.11	79%
MAST	0.2	72%
PL	1.2	76%
LIV	-3.0	72%
FI	0.0	76%
SCR	NA	%
SCE	1.6	63%
DCE	2.1	61%
MS	7.10	63%



Dam: Siemers GD Paris 36374-ET



Siemers Parbie-Red-ET



14H017555 SIEMERS PARBIE-RED-ET TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

REDLEA X GAMEDAY X MARK *RC

H0840003267429058 Sfbnr: 94291 kodnr: 9-9265

99% RHA DMS: 234-345 aAa: 324 B-Casein: A1A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	0.67	Reslig
Styrka	Vek	0.40	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.38	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.77	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.55	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.90	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.94	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.27	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.49	Hög
Ben bedömning	Låg	0.62	Hög
Fram juver	Svagt	1.45	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.83	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.93	Brett
Juveligament	Svagt	0.54	Starkt
Juver djup	Djup	0.82	Grund
Spenplac fram	Vid	0.32	Tät
Spenplac bak	Vid	0.46	Tät
Spenlängd	Kort	0.30	Lång

DANSBY-P

INDEXES

TPI	3078
NM	538
HHP\$	661
FE	197

PRODUCTION

0 Dtrs / 0 Herds 81% Rel.

PTAM	593
PTAP	39
PTAP %	0.07
PTAF	78
PTAF %	0.20
CFP	117

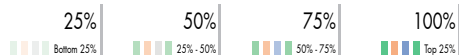
TYPE

0 Dtrs / 0 Herds 81% Rel.

PTAT	1.07
UDC	0.53
FLC	-0.17
BWC	0.95

MANAGEMENT

SCS	2.91	79%
MAST	1.8	73%
PL	2.0	77%
LIV	-1.3	74%
FI	-0.3	77%
SCR	-0.9	73%
SCE	2.0	82%
DCE	2.1	70%
MS	7.08	65%



94H021601 KINGS-RANSOM DANSBY-P-ET TR PC TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

KAHN X CONWAY X EISAKU

H0840003247634363 Sfbnr: 94290 kodnr: 9-9261

99% RHA DMS: aAa: B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 0 Dtrs/0 Herds

Storlek	Låg	1.56	Reslig
Styrka	Vek	1.10	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.21	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.26	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.74	Brett
Korsluttning	Höga bårben	0.85	Sluttande
Ben sidan	Rak	1.41	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.22	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.31	Hög
Ben bedömning	Låg	0.33	Hög
Fram juver	Svagt	0.70	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.71	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.21	Brett
Juveligament	Svagt	0.77	Starkt
Juver djup	Djup	0.60	Grund
Spenplac fram	Vid	1.02	Tät
Spenplac bak	Vid	1.31	Tät
Spenlängd	Kort	0.00	Lång

SHEEPSTER

INDEXES

TPI	3572
NM	1111
HHP\$	1198
FE	356

PRODUCTION

444 Dtrs / 72 Herds 98% Rel.

PTAM	1521
PTAP	70
PTAP %	0.07
PTAF	133
PTAF %	0.25
CFP	203

TYPE

155 Dtrs / 28 Herds 96% Rel.

PTAT	0.69
UDC	0.18
FLC	0.42
BWC	0.00

MANAGEMENT

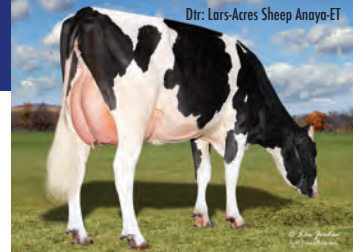
SCS	2.90	94%
MAST	1.0	75%
PL	5.5	88%
LIV	1.1	82%
FI	0.6	89%
SCR	-0.3	96%
SCE	2.1	99%
DCE	2.4	97%
MS	7.03	85%



Dtr: Clear-Echo Sheepster 6083-ET



Dtr: Lars-Acres Sheep Anya-ET



7H016276 OCD TROOPER SHEEPSTER-ET TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

TROOPER X ACURA X RESOLVE

H0840003236792832 Sfbnr: 94331 kodnr:

99% RHA DMS: 135-123 aAa: 342 B-Casein: A1A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 155 Dtrs/28 Herds

Storlek	Låg	0.07	Reslig
Styrka	Vek	0.19	Starkt
Kroppsdjup	Grund	-0.31	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.43	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.42	Brett
Korsluttning	Höga bårben	0.93	Sluttande
Ben sidan	Rak	-0.29	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	0.97	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.43	Hög
Ben bedömning	Låg	0.24	Hög
Fram juver	Svagt	0.32	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.27	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.15	Brett
Juveligament	Svagt	-0.65	Starkt
Juver djup	Djup	-0.39	Grund
Spenplac fram	Vid	0.17	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.28	Tät
Spenlängd	Kort	0.48	Lång

TROOPER

INDEXES

TPI	3334
NM	677
HHP\$	808
FE	218

PRODUCTION

6041 Dtrs/ 585 Herds 99% Rel.

PTAM	702
PTAP	53
PTAP %	0.11
PTAF	90
PTAF %	0.23
CFP	143

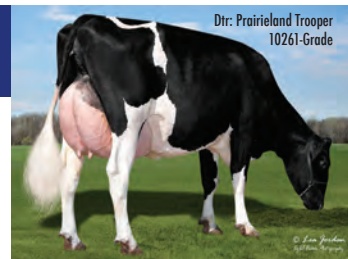
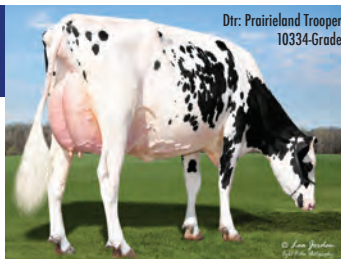
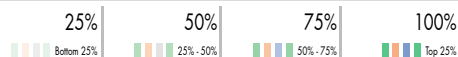
TYPE

816 Dtrs/ 161 Herds 98% Rel.

PTAT	1.00
UDC	0.57
FLC	1.63
BWC	0.79

MANAGEMENT

SCS	3.02	99%
MAST	-1.1	93%
PL	3.9	96%
LIV	-0.8	87%
FI	2.0	98%
SCR	-0.9	99%
SCE	1.7	99%
DCE	2.6	96%
MS	7.26	98%



14H015179 PLAIN-KNOLL RENEGAD TROOPER TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

RENEGADE X LEGENDARY X JOSUPER

H0840003149934610 S1bnr: 93926 kodnr: 9-9096

99% RHA DMS: 456-345 aAa: 432 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 816 Dtrs/161 Herds

Storlek	Låg	0.45	Reslig
Styrka	Vek	0.69	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.11	Djup
Mjölktyp	Täta revben	-0.30	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.25	Brett
Korsluttning	Höga bårben	-0.84	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.25	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	2.20	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.98	Hög
Ben bedömning	Låg	1.48	Hög
Fram juver	Svagt	1.10	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	1.00	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.83	Brett
Juveligament	Svagt	-0.02	Starkt
Juver djup	Djup	0.41	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.24	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.06	Tät
Spenlängd	Kort	0.94	Lång

CRUSHER

INDEXES

TPI	3250
NM	950
HHP\$	858
FE	299

PRODUCTION

2375 Dtrs/ 150 Herds 99% Rel.

PTAM	267
PTAP	42
PTAP %	0.13
PTAF	118
PTAF %	0.40
CFP	160

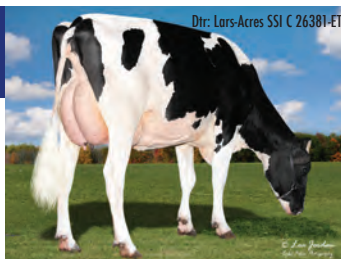
TYPE

428 Dtrs/ 55 Herds 97% Rel.

PTAT	0.14
UDC	-0.62
FLC	-0.38
BWC	-0.10

MANAGEMENT

SCS	2.89	99%
MAST	0.2	90%
PL	4.4	95%
LIV	3.4	84%
FI	-0.1	96%
SCR	1.9	97%
SCE	1.5	98%
DCE	1.7	95%
MS	6.73	98%



7H015465 PLAIN-KNOLL CRUSHER-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

CALVARY X LEGENDARY X JOSUPER

H0840003149934677 S1bnr: 94098 kodnr: 9-9176

99% RHA DMS: 135-345 aAa: 243 B-Casein: A1A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 428 Dtrs/55 Herds

Storlek	Låg	0.83	Reslig
Styrka	Vek	0.04	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.34	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.09	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	0.98	Brett
Korsluttning	Höga bårben	1.23	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.48	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-0.50	Parallell
Kotvinkel	Låg	-0.45	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.05	Hög
Fram juver	Svagt	-1.14	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.04	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.95	Brett
Juveligament	Svagt	0.16	Starkt
Juver djup	Djup	-0.87	Grund
Spenplac fram	Vid	-1.36	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.77	Tät
Spenlängd	Kort	2.05	Lång

FIGARO

INDEXES

TPI	3200
NM	554
HHP\$	701
FE	187

PRODUCTION

1655 Dtrs/ 148 Herds 99% Rel.

PTAM	1040
PTAP	39
PTAP %	0.02
PTAF	74
PTAF %	0.11
CFP	113

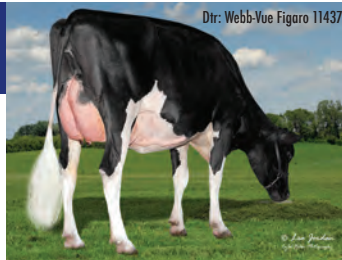
TYPE

318 Dtrs/ 56 Herds 96% Rel.

PTAT	1.73
UDC	1.49
FLC	1.61
BWC	1.03

MANAGEMENT

SCS	2.97	98%
MAST	2.3	80%
PL	2.1	90%
LIV	-2.0	76%
FI	0.0	93%
SCR	0.5	98%
SCE	1.4	99%
DCE	1.4	93%
MS	7.03	98%



250H016074 OCD PERFECT FIGARO-ET TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

PERFECT X COFFEE X BURLEY

H0840003223868608 Sifnr: 93918 kodnr: 9-9026

99% RHA DMS: 135-123 aAa: 342 B-Casein: A1A2 K-Casein: BE



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 318 Dtrs/56 Herds

Storlek	Låg	0.76	Reslig
Styrka	Vek	0.84	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.35	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.17	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.79	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-1.70	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.42	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	2.63	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.39	Hög
Ben bedömning	Låg	1.40	Hög
Fram juver	Svagt	1.78	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.03	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	1.96	Brett
Juveligament	Svagt	0.37	Starkt
Juver djup	Djup	1.49	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.07	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.02	Tät
Spenlängd	Kort	-0.20	Lång

RUPERT

INDEXES

TPI	3181
NM	657
HHP\$	736
FE	235

PRODUCTION

2350 Dtrs/ 448 Herds 99% Rel.

PTAM	1679
PTAP	56
PTAP %	0.00
PTAF	83
PTAF %	0.05
CFP	139

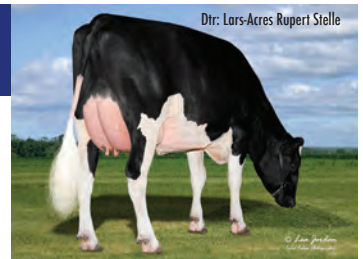
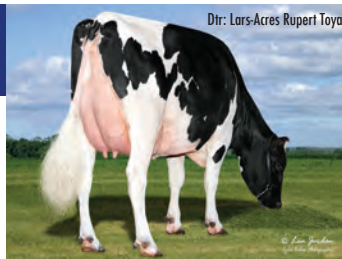
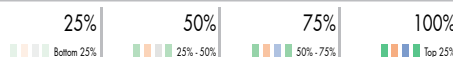
TYPE

762 Dtrs/ 209 Herds 94% Rel.

PTAT	0.35
UDC	-0.08
FLC	0.62
BWC	0.34

MANAGEMENT

SCS	3.02	98%
MAST	-1.4	89%
PL	2.5	95%
LIV	-2.3	85%
FI	1.1	94%
SCR	-2.1	99%
SCE	1.9	99%
DCE	2.0	91%
MS	7.54	87%



7H014985 S-S-I RENEGADE RUPERT-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

RENEGADE X MATTERS X STOIC

H0840003202794675 Sifnr: 94039 kodnr: 9-9139

99% RHA DMS: 345-234 aAa: 342 B-Casein: A2A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 762 Dtrs/209 Herds

Storlek	Låg	0.03	Reslig
Styrka	Vek	0.67	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.30	Djup
Mjölktyp	Täta revben	0.02	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	-0.97	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.43	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.53	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.31	Parallell
Kotvinkel	Låg	0.43	Hög
Ben bedömning	Låg	0.40	Hög
Fram juver	Svagt	-0.02	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.29	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	0.53	Brett
Juveligament	Svagt	-0.06	Starkt
Juver djup	Djup	-0.41	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.61	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.21	Tät
Spenlängd	Kort	1.83	Lång

HARMONY

INDEXES

TPI	3177
NM	464
HHP\$	544
FE	208

PRODUCTION

1043 Dtrs/ 202 Herds 99% Rel.

PTAM	1563
PTAP	53
PTAP %	0.01
PTAF	72
PTAF %	0.03
CFP	125

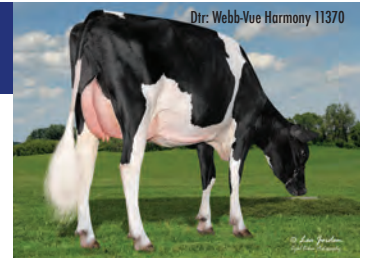
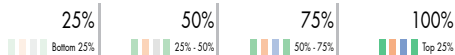
TYPE

225 Dtrs/ 82 Herds 96% Rel.

PTAT	2.21
UDC	1.73
FLC	1.14
BWC	0.70

MANAGEMENT

SCS	2.99	97%
MAST	0.1	78%
PL	0.0	89%
LIV	-5.0	84%
FI	-1.1	91%
SCR	1.4	98%
SCE	2.0	98%
DCE	1.6	88%
MS	7.25	90%



250H015955 AOT PERFECT HARMONY-ET TR TP TM TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

PERFECT X POSITIVE X DELTA

H0840003220248849 Sfbnr: 93518 kodnr: 9-8654

99% RHA DMS: 234-345 aAa: 423 B-Casein: A1A2 K-Casein: AB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 225 Dtrs/82 Herds

Storlek	Låg	1.76	Reslig
Styrka	Vek	0.97	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.24	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.98	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	2.51	Brett
Korsluttning	Höga bärben	1.12	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.48	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	1.83	Parallell
Kotvinkel	Låg	1.18	Hög
Ben bedömning	Låg	1.34	Hög
Fram juver	Svagt	1.87	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.25	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.81	Brett
Juveligament	Svagt	2.33	Starkt
Juver djup	Djup	1.09	Grund
Spenplac fram	Vid	1.68	Tät
Spenplac bak	Vid	2.48	Tät
Spenlängd	Kort	0.26	Lång

LIONEL

INDEXES

TPI	3151
NM	791
HHP\$	745
FE	326

PRODUCTION

21031 Dtrs/ 951 Herds 99% Rel.

PTAM	2672
PTAP	68
PTAP %	-0.07
PTAF	112
PTAF %	0.01
CFP	180

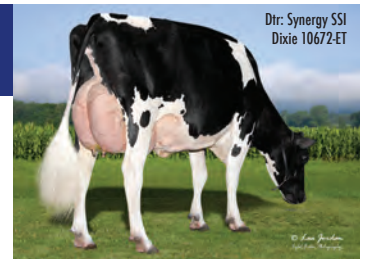
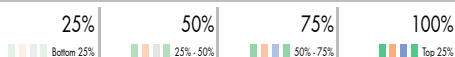
TYPE

2146 Dtrs/ 307 Herds 99% Rel.

PTAT	0.02
UDC	-0.13
FLC	-0.99
BWC	-0.31

MANAGEMENT

SCS	2.90	99%
MAST	-2.2	99%
PL	0.5	99%
LIV	-3.1	96%
FI	-2.5	99%
SCR	-0.6	98%
SCE	1.7	99%
DCE	2.3	98%
MS	7.12	98%



7H014454 MR T-SPRUCE FRAZZ LIONEL-ET TR TP TC TY TV TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

FRAZZLED X MONTROSS X SUPERSIRE

H0840003142490309 Sfbnr: 93513 kodnr: 9-8604

98% RHA DMS: 345-135 aAa: 423 B-Casein: A2A2 K-Casein: AA



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 2146 Dtrs/307 Herds

Storlek	Låg	-0.15	Reslig
Styrka	Vek	0.36	Starkt
Kroppsdjup	Grund	0.18	Djup
Mjölktyp	Täta revben	1.59	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.16	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.80	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.22	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	-1.15	Parallell
Kotvinkel	Låg	-1.04	Hög
Ben bedömning	Låg	-0.88	Hög
Fram juver	Svagt	-0.86	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	0.57	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.11	Brett
Juveligament	Svagt	-1.21	Starkt
Juver djup	Djup	-1.98	Grund
Spenplac fram	Vid	-0.66	Tät
Spenplac bak	Vid	-0.25	Tät
Spenlängd	Kort	0.17	Lång

COMBINATION

INDEXES

TPI	2923
NM	118
HHP\$	204
FE	92

PRODUCTION

104 Dtrs/ 34 Herds 92% Rel.

PTAM	869
PTAP	31
PTAP %	0.01
PTAF	38
PTAF %	0.01
CFP	69

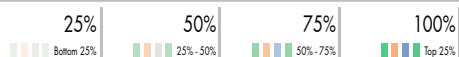
TYPE

37 Dtrs/ 16 Herds 88% Rel.

PTAT	2.43
UDC	1.69
FLC	1.97
BWC	0.92

MANAGEMENT

SCS	3.30	89%
MAST	-1.8	75%
PL	-0.7	83%
LIV	-5.4	79%
FI	0.5	81%
SCR	1.5	95%
SCE	3.2	95%
DCE	2.5	72%
MS	7.62	78%



Dtr: Air-Osa Exel Combo Lily-ET



Exels Combination-ET



7H016105 EXELS COMBINATION-ET TR TP TC TY TL TD TE HH1T HH2T HH3T HH4T HH5T HH6T

LOGISTICS X DOC X MONTROSS

H0840003221284374 Stbnr: 93759 kodnr: 9-8778

99% RHA DMS: 123-234 aAa: 243 B-Casein: A1A2 K-Casein: BB



CDCB and HA Genomic Eval. 12-25, Zoetis 12-25

GUSA-HA Evaluation 12/25 37 Dtrs/16 Herds

Storlek	Låg	2.18	Reslig
Styrka	Vek	1.49	Starkt
Kroppsdjup	Grund	1.68	Djup
Mjölktyp	Täta revben	2.04	Öppna revben
Kors bredd	Smalt	1.01	Brett
Korsluttning	Höga bärben	-0.96	Sluttande
Ben sidan	Rak	0.52	Vinklad
Ben bakifrån	Tät	2.73	Parallell
Kotvinkel	Låg	2.32	Hög
Ben bedömnings	Låg	2.16	Hög
Fram juver	Svagt	1.97	Starkt
Bakjuver höjd	Låg	2.87	Hög
Bakjuver bredd	Smalt	2.85	Brett
Juveligament	Svagt	1.29	Starkt
Juvel djup	Djup	1.10	Grund
Spenplac fram	Vid	0.46	Tät
Spenplac bak	Vid	0.75	Tät
Spenlängd	Kort	0.00	Lång

December bedömningen 2025

SHEEPSTER adderade 366 döttrar för produktion och har nu en säker avkommebedömning. Han steg nästan 200 lbs i mjölmängd till 1521 lbs med ökad fett % vilket nu ger han 203 lbs kombinerat fett & protein! Mycket hög överlevnad 5.5 PL med god dotterfertilitet från medelstora döttrar med idealiska juver för robotmjölkning. Sheepster levererar ett komplett paket vilket gör han till världens högst avkommebedömda tjur någonsin med 3572 TPI.

FIGARO (Parfect x Coffee) gör comeback som prövad, efter att ha varit prövad sedan april har han nu 1655 döttrar i produktion och 318 exteriör bedömda. Således mycket säker med 1040 lbs mjölk och mycket god exteriör, speciellt de felfria benen 1.61 FLC.

Vi har ett flertal Sheepster söner i tjurlistan och nyaste tillskottet är FOONBURTON (Sheepster x Gameday) en helbror till tjuren SALOON. Han kombinerar 1355 lbs mjölk, 0,30% fett, 199 lbs fett & protein, 3.8 PL, 3497 TPI och ger döttrar som är något mindre än medel med en lite vidare spenplacering med positiv spenlängd och bra mjölkflöde.

Från Aot Deluxe Hi-Lighted EX-91 som bland annat är mor till tjuren KNACK och slutade på en andra plats i Holstein Internationals "Global cow of the year 2025" kommer nu 2a generationens tjurar! Först ut är tjurarna PUFFIN (Nitrous x Powerstar) 3408 TPI och BELLIS (Hipster x Figaro) 3366 TPI som båda är mycket kompletta allround tjurar med över 800 lbs mjölk i kombination med höga halter.

Med god produktion, utmärkta hälsoegenskaper och mycket kompletta linjära exteriör egenskaper så borde dessa tjurar platsa i de allra flesta besättningar!

Kofamiljen på Aurora Ridge med 5 levande generationer kor i produktion levererar ytterligare en ny tjur, BURDETT (Sundance x Parfect) som kombinerar 1090 lbs mjölk med bra halter, goda hälsoegenskaper, snabbmjölkade och en helt högersidig linjär exteriör med utmärkta korsegenskaper.

Från ABS kommer de nya tjurarna SANDLOT & PALOMA båda efter Sheepster x Gameday som blivit något utav en nutida "Golden Cross". De har en mycket liknande profil rakt igenom som sin far med hög produktion av fett & protein, överlevnad, medel kroppsstorlek med optimal spenplacering. Tjuren BEAUFORT (Easton x Parfect) är även han ny sedan sist och levererar på en hög nivå med bland annat 1297 lbs mjölk.

Vi har även ett flertal nya köttas tjurar, bland annat Charolais tjuren FREE RIDE som kombinerar lätta kalvningar för rasen och slaktegenskaper av mycket hög kvalitet.



The genetic evaluations contained within this report, unless otherwise noted, are provided by the Council on Dairy Cattle Breeding as the steward of the National Cooperator Database. The National Cooperator Database houses producer-owned yield, management, ancestry, type, and genotype data for the use in genetic evaluations and independent research. Data included in the National Cooperator Database is submitted through certified organizations for data quality and integrity. As such, individual traits - along with Lifetime Net Merit \$, Cheese Merit \$, Fluid Merit \$, and Grazing Merit \$ - are Powered by CDCB, unless otherwise noted such as Holstein type traits. For more information about evaluations Powered by CDCB and the industry collaboration that fuels them, visit <https://uscdcb.com/cdcb-marks/>

MJÖLK	Lbs
LIONEL	+2672
JACKPOT	+1955
TUBMAN	+1792
RUPERT	+1679
FRONTENAC	+1595

FETT + PROTEIN	Lbs
SHEEPSTER	+203
FOONBURTON	+199
LIONEL	+180
SANDLOT	+178
SALOON	+173

SCR	
KNACK	+2.5
CRUSHER	+1.9
BOATSHOW	+1.7
COMBINATION	+1.5
FOONBURTON	+1.4

PL (överlevande tal)	
SHEEPSTER	+5.5
SALOON	+5.1
SAMSUN	+4.9
BELLIS	+4.6
SHERBET	+4.6

FI (Fertilitet)	
SHERBET	+2.0
TROOPER	+2.0
SANBORN	+1.9
TUBMAN	+1.4
HADZUKI	+1.4

Mjök hastighet	
COMBINATION	+7.62
JACKPOT	+7.61
RUPERT	+7.54
TUBMAN	+7.45
ESKIL	+7.39

TYP	
HINGE	+2.80
COMBINATION	+2.43
HADER	+2.27
HABULOUS-P	+2.22
HARMONY	+2.21

JUVER	
HINGE	+2.28
HARMONY	+1.73
COMBINATION	+1.69
KNACK	+1.67
ESKIL	+1.49

BEN	
COMBINATION	+1.97
TROOPER	+1.63
HINGE	+1.62
FIGARO	+1.61
HABULOUS-P	+1.22

HBGenetics

Solvägen 12 541 57 Skövde • Email: info@hbgenetics.com • www.hbgenetics.com

HANS MAGNUSSON
 Mobil: 0703-552249
 Kontor: 0515-31081
hbgenetics.hm@gmail.com

MIKAEL HELLZEN
 Mobil: 0706-315440
mikael.hellzen@hotmail.com

MAGNUS ANDERSSON
 Mobil: 076-8783537
magnus@hbgenetics.com

MARTIN BLOMSTER
 Mobil: 0707-544477
martin.blomster@hotmail.com

BRITA MAGNUSSON
 Kontor: 0515-31081
 Mobil: 070-7920792
brita@hbgenetics.com



WORLD WIDE SIRES, LTD.®



GENOMTEST MED HÖG SÄKERHET

- Vi erbjuder genomtest Igenity Select via NEOGEN, världsledande inom genomiska tester.
- Officiella avelsvärden från CDCB i Usa.
- Över 50 produktion, hälsa, hållbarhet, fertilitet och exteriör egenskaper.
- Du äger din data och har tillgång till all data via Neogen dashboard.



AVELSPLAN & DJURFLÖDEN

- Avelsplan med WMS, World Wide Mating Service som hanterar både inavel & haplotyper
- Beräkning av djurflöde med Genetic Strategy Calculator



WMS

WORLD WIDE MATING SERVICE